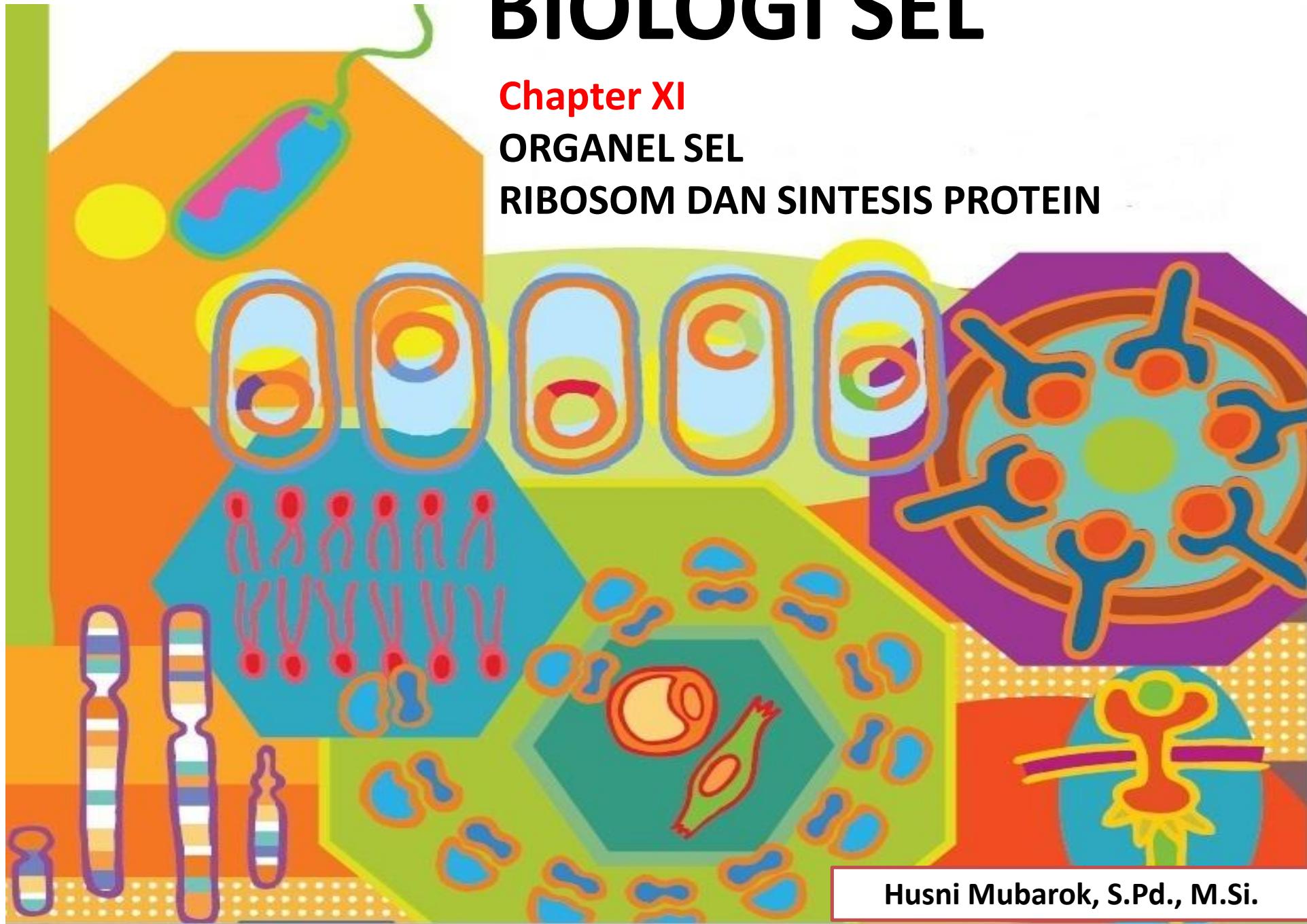


# BIOLOGI SEL

## Chapter XI ORGANEL SEL RIBOSOM DAN SINTESIS PROTEIN

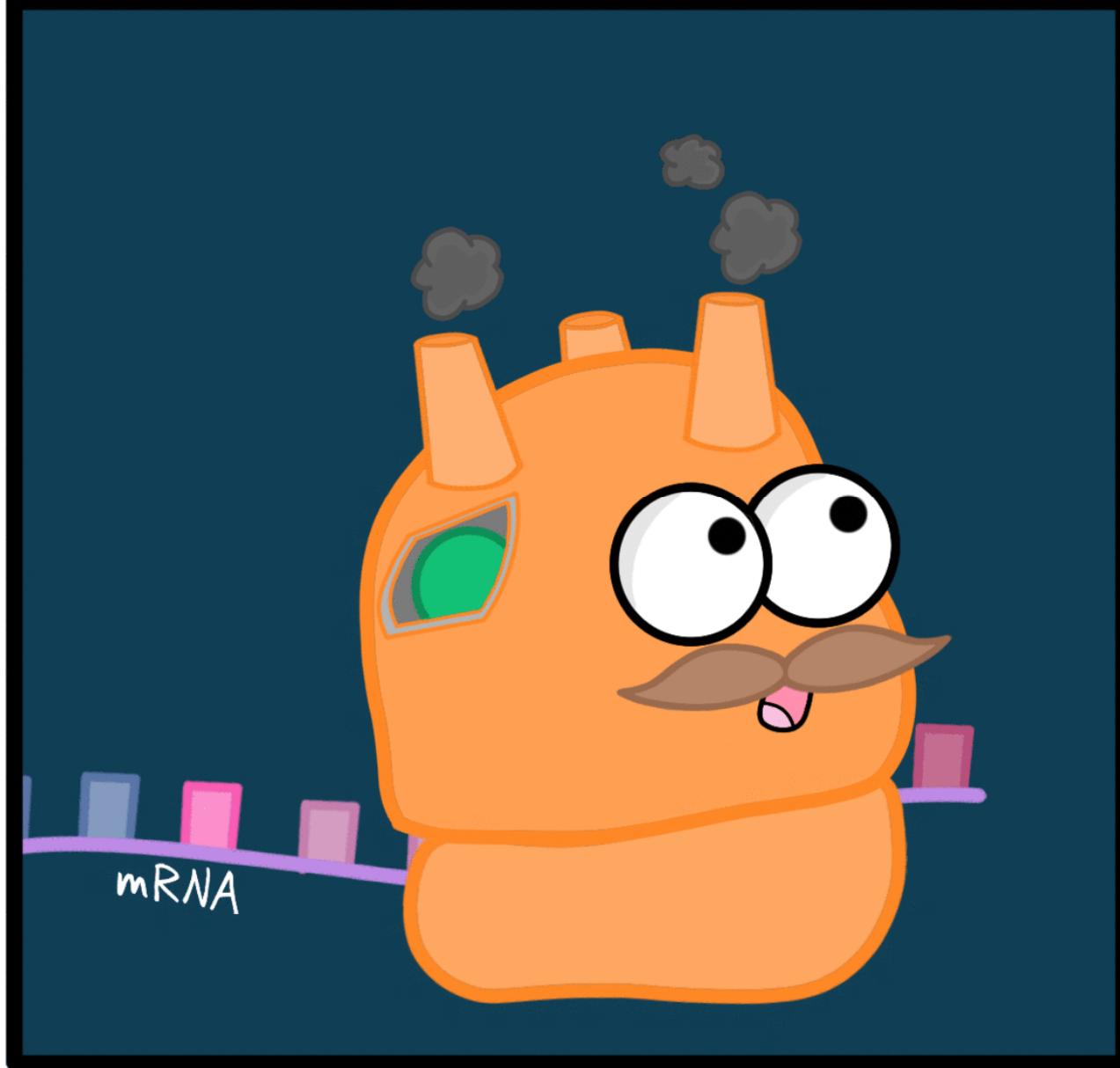


Husni Mubarok, S.Pd., M.Si.

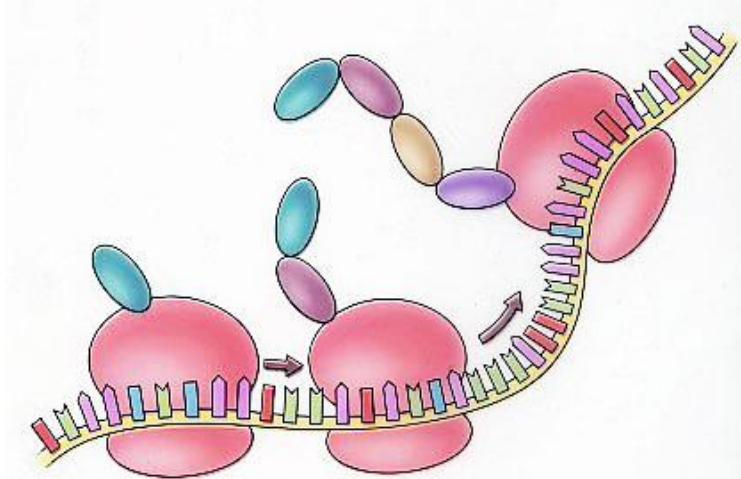
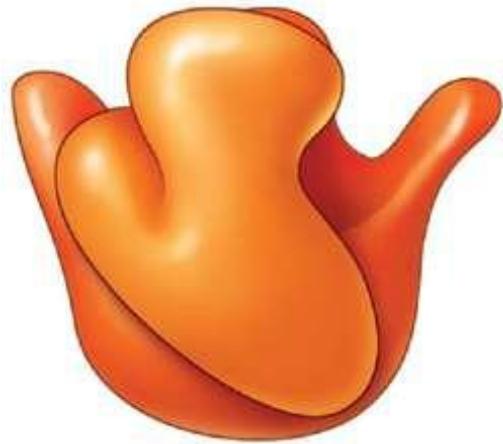
Amoeba Sisters

# Ribosomes

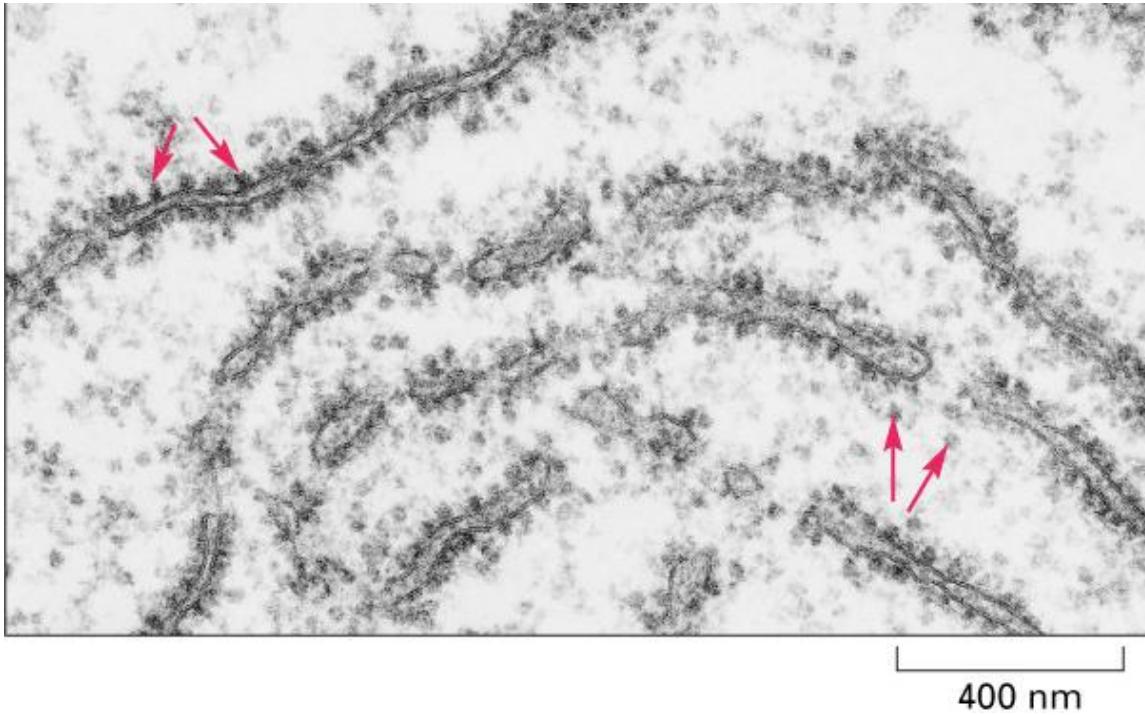
#AmoebaGIFs



Protein synthesizers of the cell

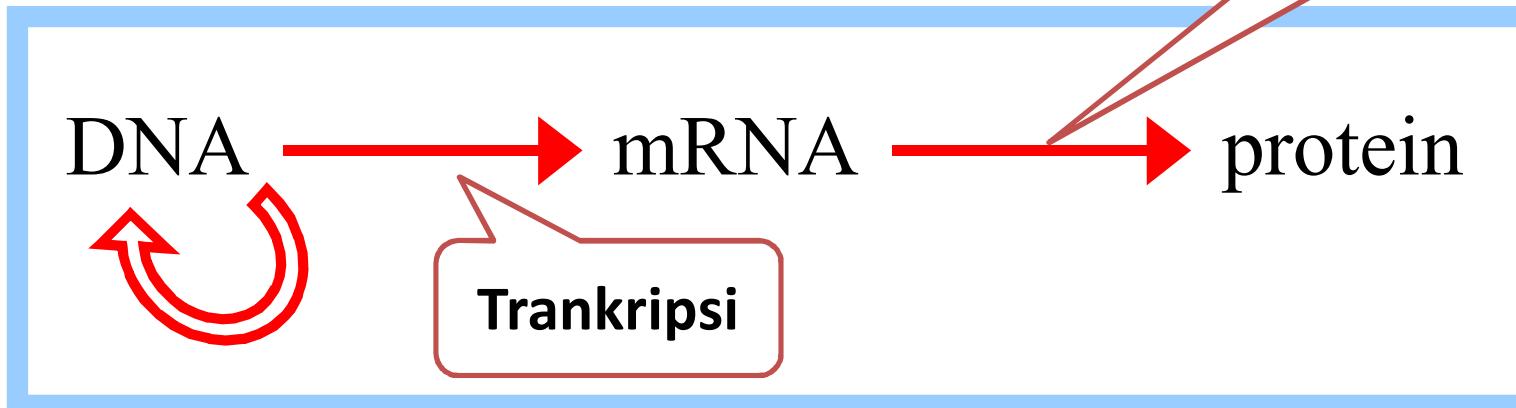


# mRNA dikode di Ribosom



400 nm

Translasi



Mari  
Mengingat

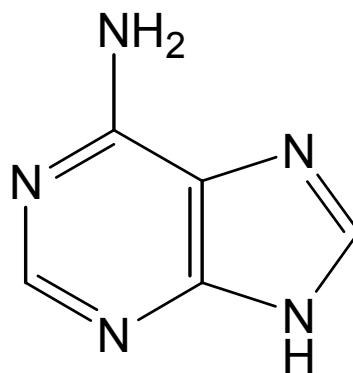
# Purin & Pirimidin

**Asam Nukleat** adl polimer dari **Nukleotida**

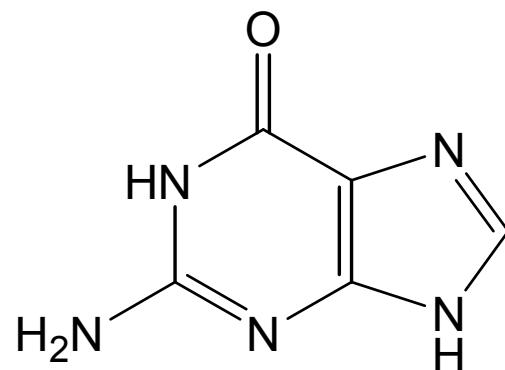
Tiap Nukleotida mengandung **Basa**

- ◆ **Purin** (Adenin (A) / Guanin (G))
- ◆ **Pirimidin** (Sitosin (C), Urasil (U), Timin (T))

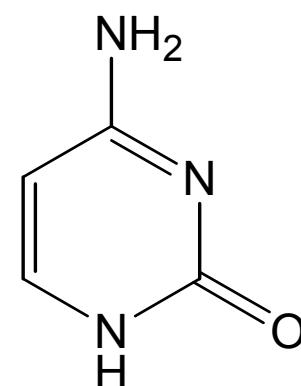
**Nucleoside bases found in RNA:**



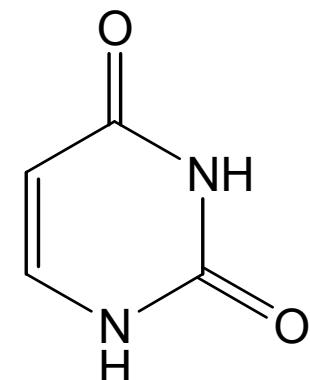
adenine (A)



guanine (G)



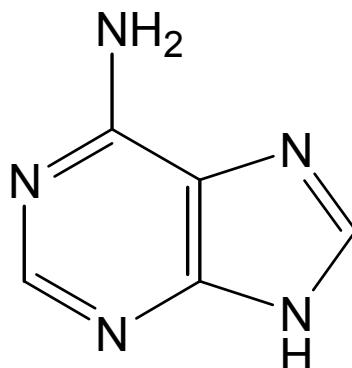
cytosine (C)



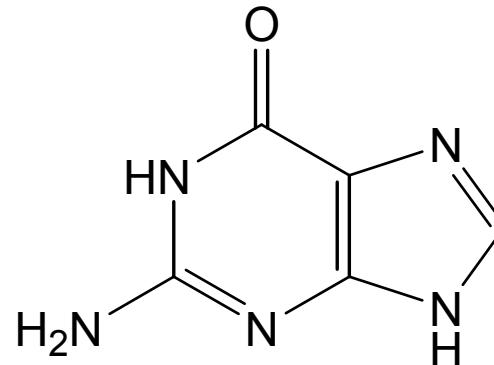
uracil (U)

Beberapa asam nukleat yg mengandung basa modifikasi

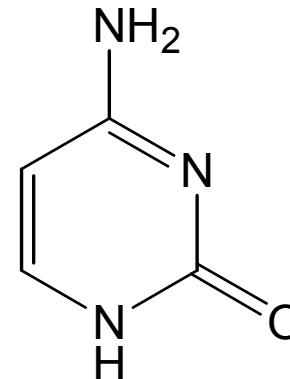
**Nucleoside bases found in RNA:**



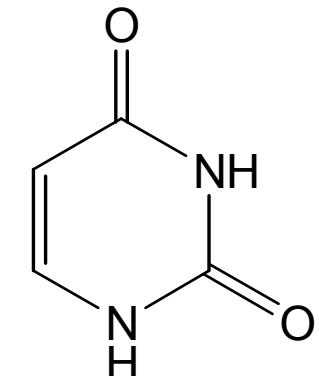
adenine (A)



guanine (G)

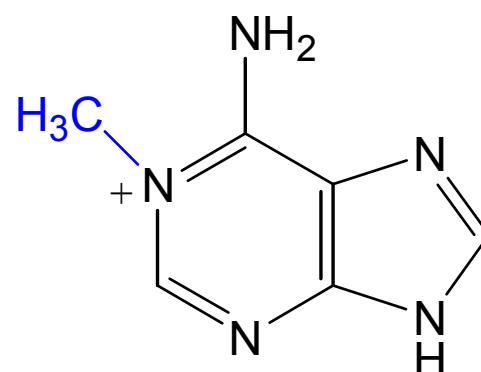


cytosine (C)

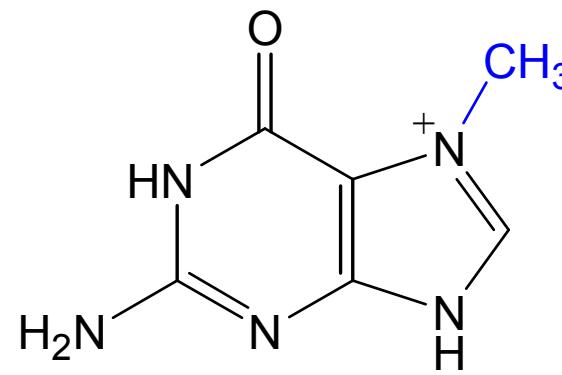


uracil (U)

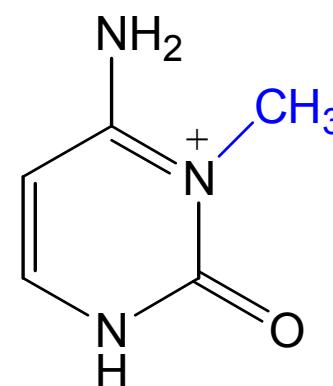
**Examples of modified bases found in tRNA:**



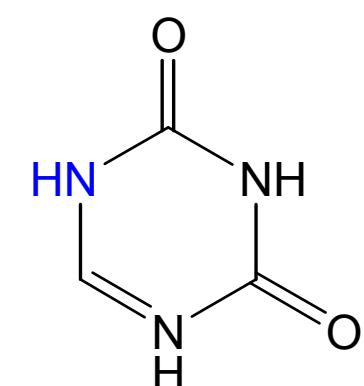
1-methyladenine ( $\text{m}^1\text{A}$ )



7-methylguanine ( $\text{m}^7\text{G}$ )



3-methylcytosine ( $\text{m}^3\text{C}$ )



pseudouracil ( $\Psi$ )

# RIBOSOM

- **Ribosom:** Mesin makromolekul yang secara langsung terlibat dalam sintesis protein

- ***Crystal Structure***

- Ribosom terdiri dari setidaknya **3 rRNA** dan **< 50 Protein**, Massa molekul lebih besar dari 2,5 Megadalton. *Referensi lain:* **3 rRNA** (pada Bakteri) atau **4 rRNA** (pada Eukariotik) dengan lebih 83 **Protein** → membentuk **Subunit Besar** dan **Subunit Kecil**

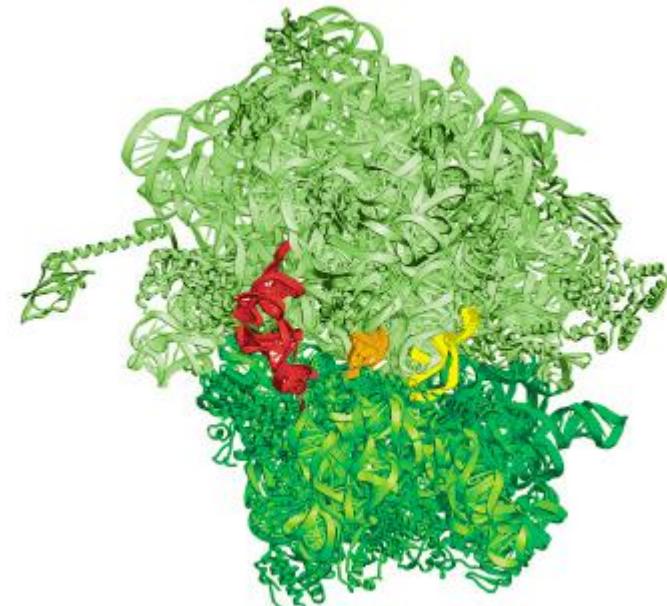
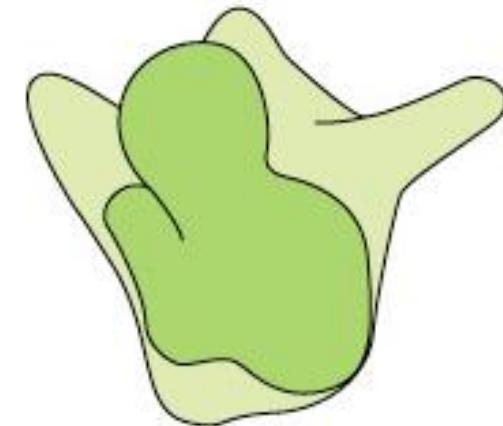
- **Kecepatan Translasi:**

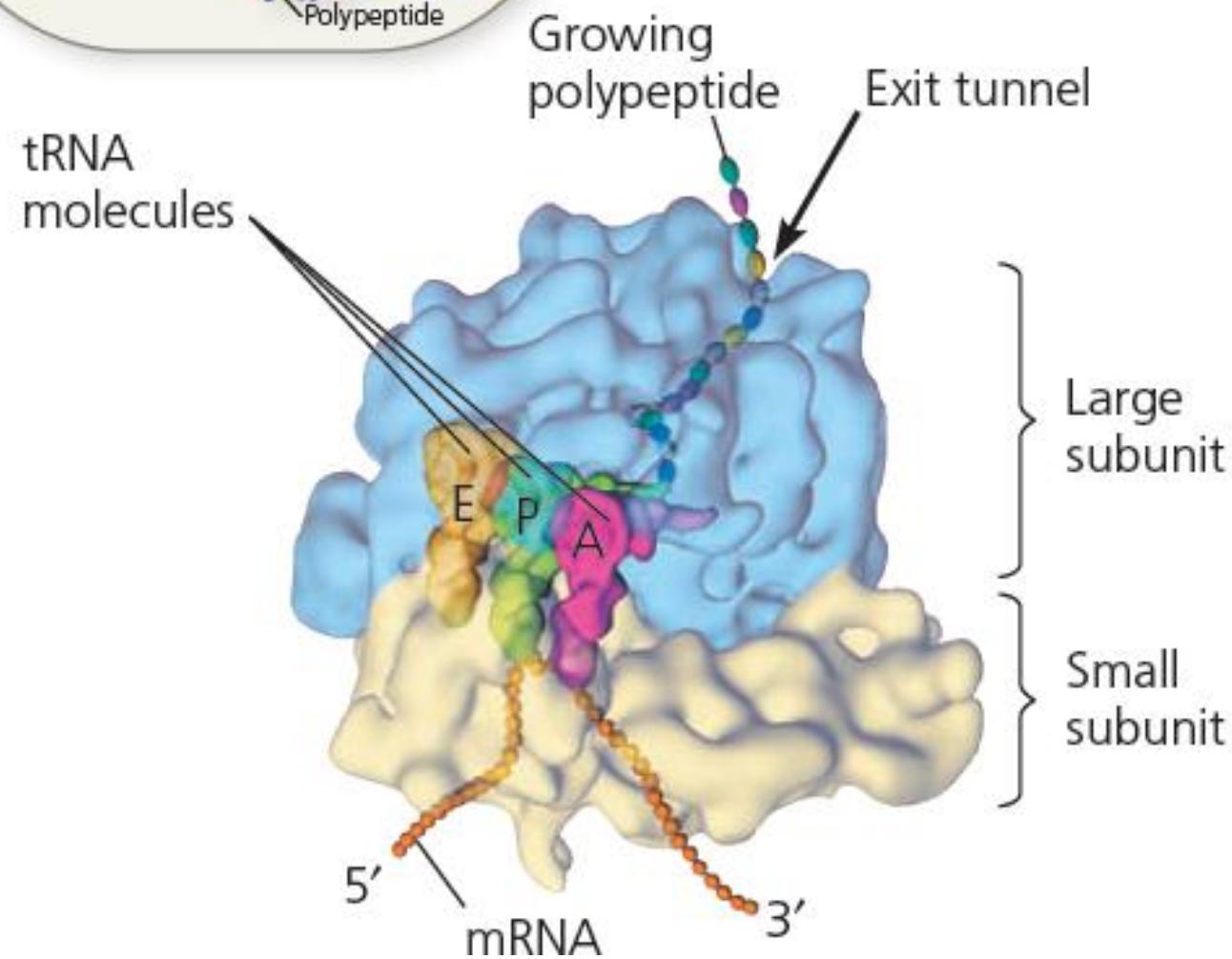
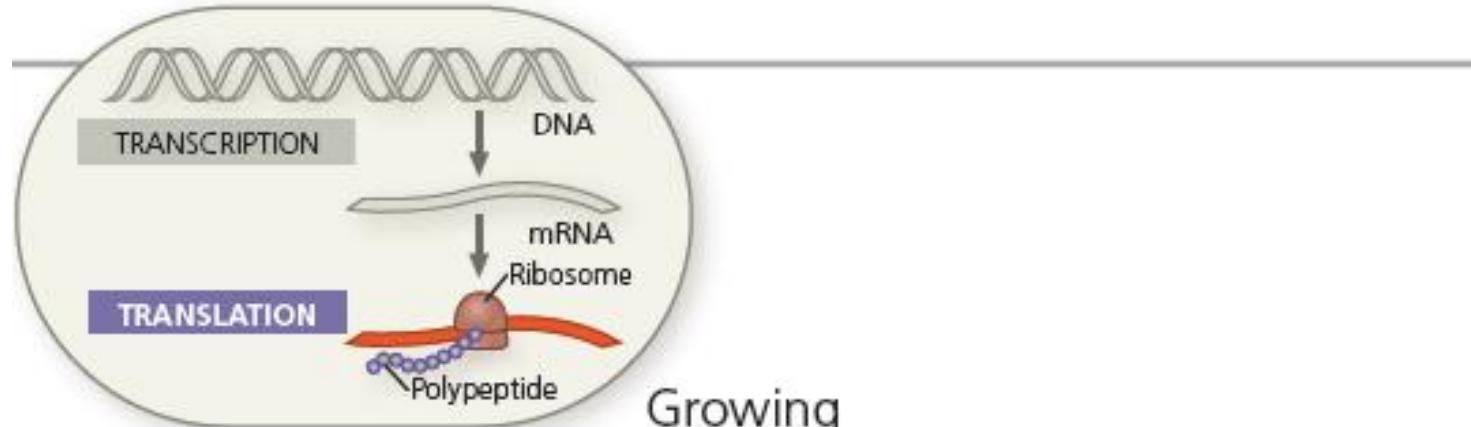
**Prokariotik:** 20 Asam Amino/ Detik,

**Eukariotik:** 2 - 4 Asam Amino/ Detik

- Protein Kecil: 100–200 asam amino per detik atau kurang

- Protein Besar: 2 – 3 Jam

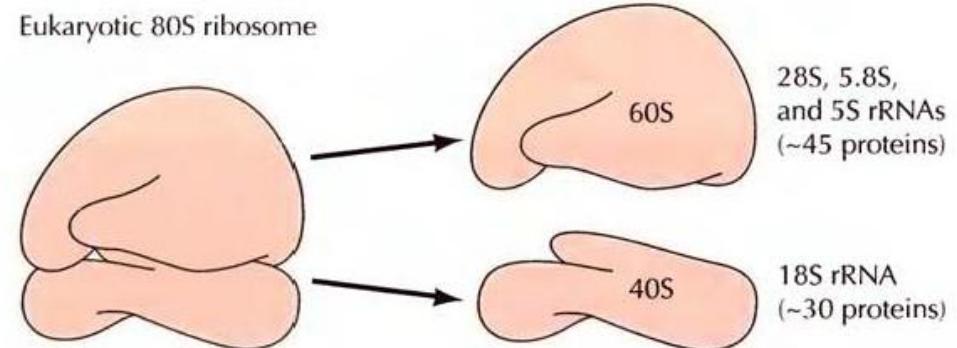
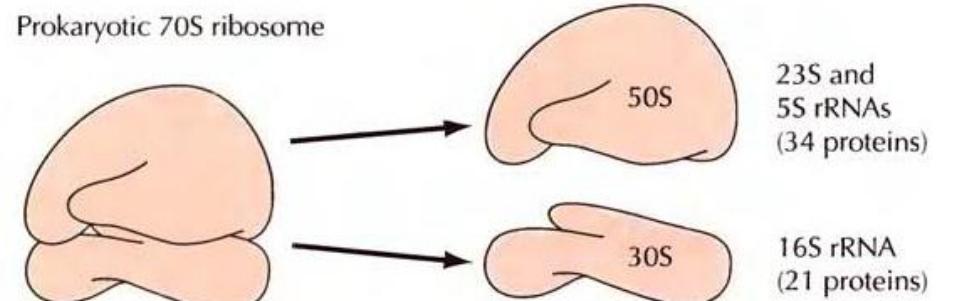




- Subunit Ribosom dan molekul rRNA secara umum didesain dalam **Unit Svedberg** (*Svedberg Units*, dilambangkan huruf S) → Pengukuran **laju sedimentasi**/ pengendapan partikel yg tersuspensi yg disentrifuge dalam keadaan standar.

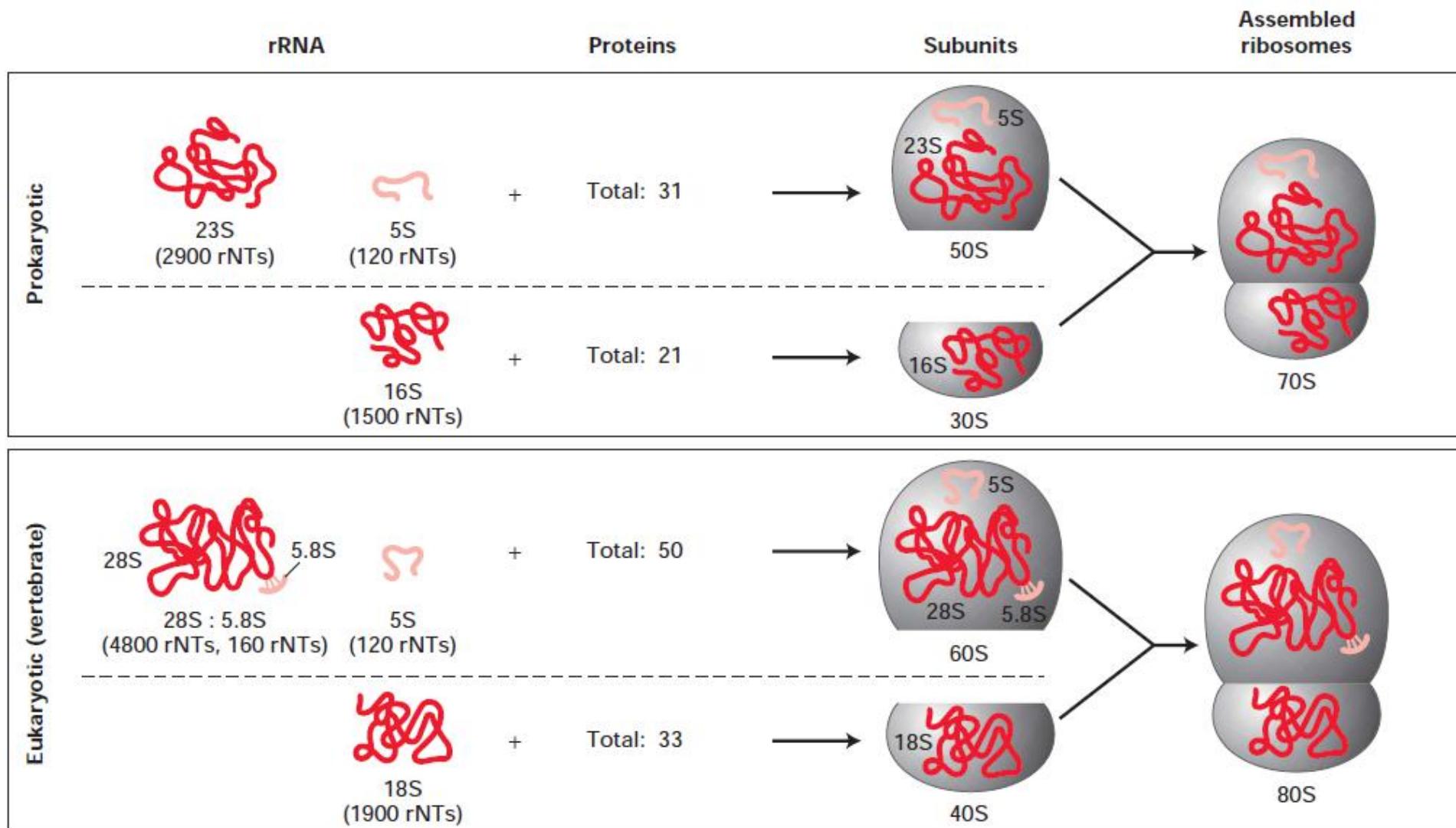


**X-Ray Resolusi Tinggi Struktur Kristal subunit 30S**

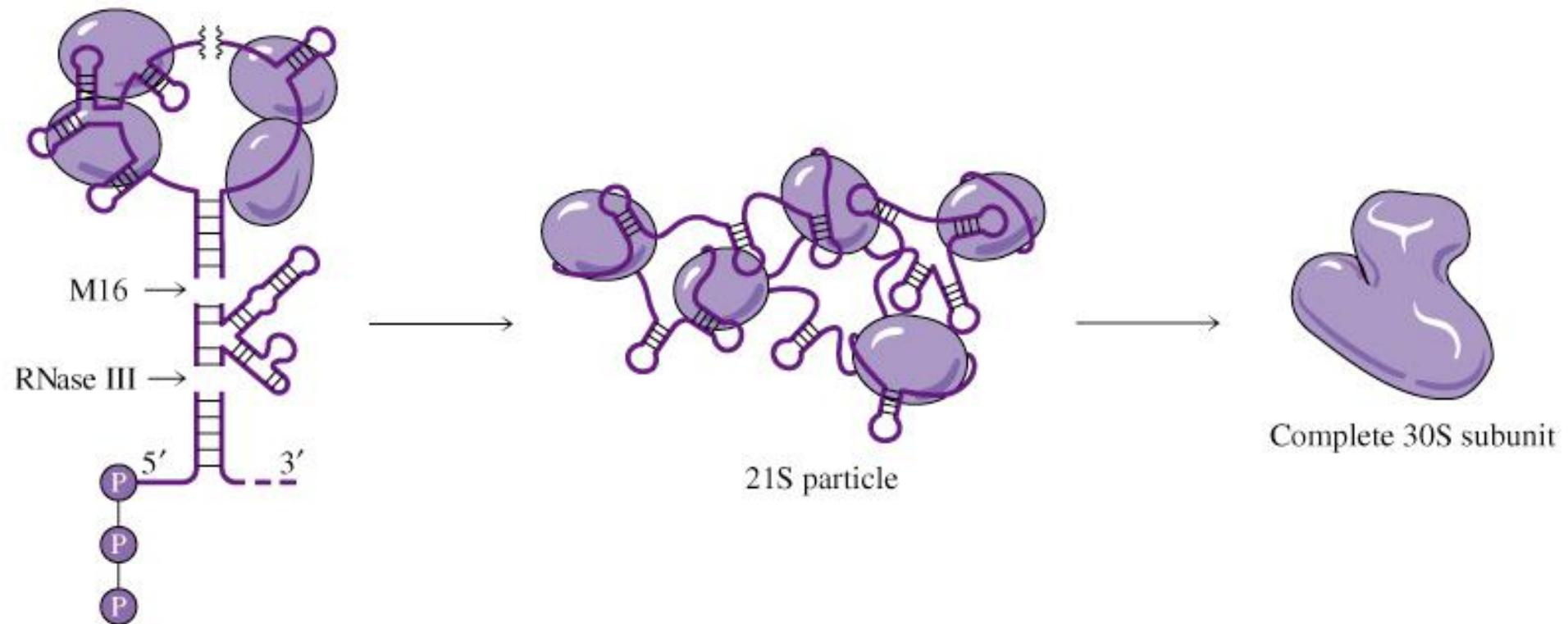


**X-Ray Resolusi Tinggi Struktur Kristal subunit 50S**

# Perbedaan Ribosom Prokariotik dan Eukariotik

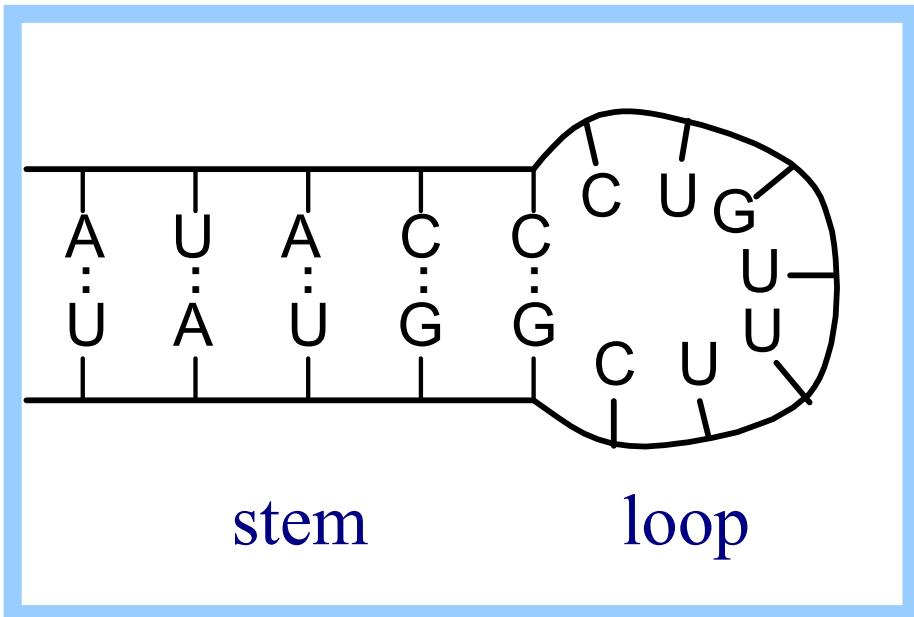


# Perakitan Ribosom

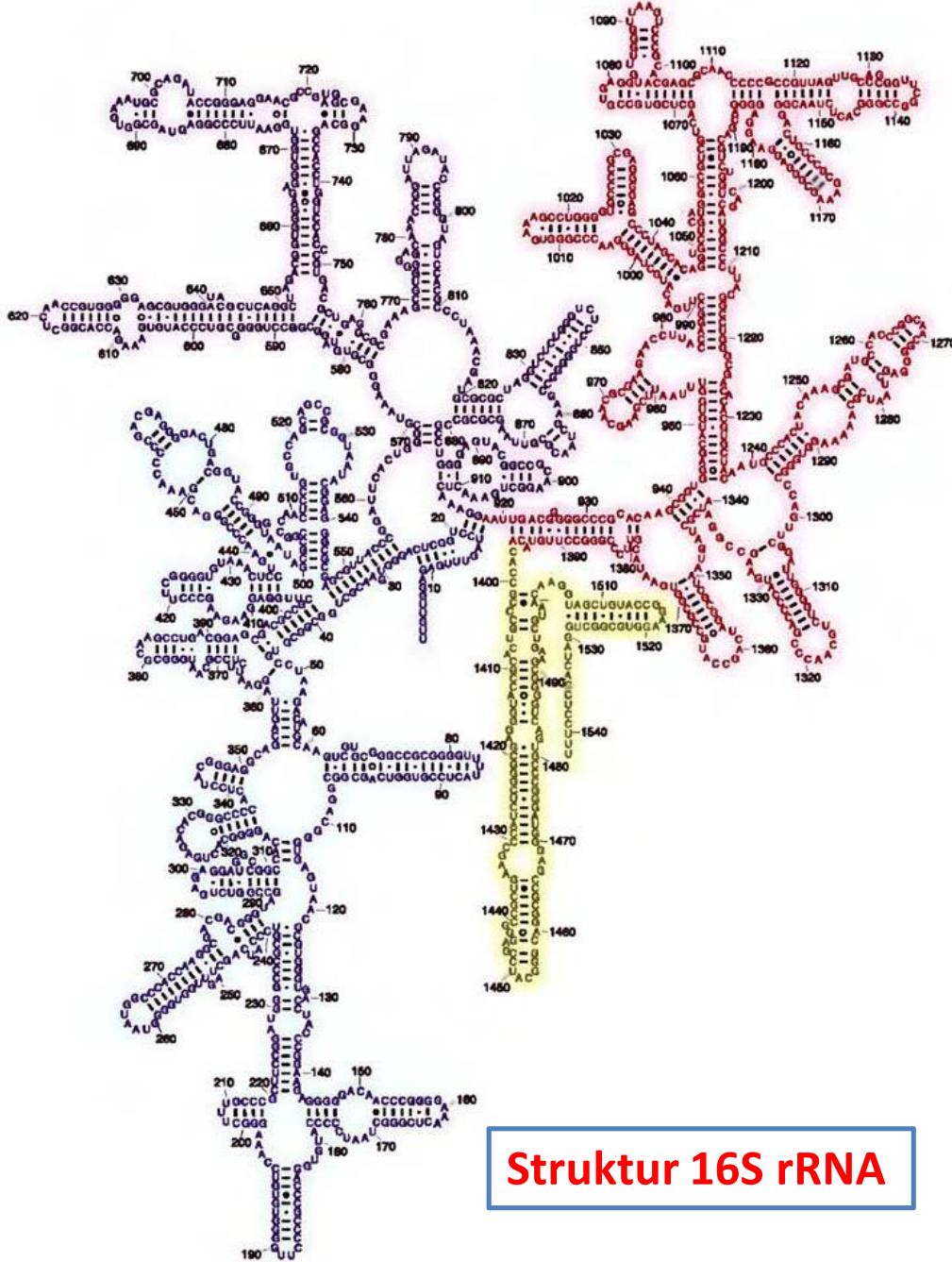


## Struktur RNA:

Kebanyakan molekul RNA memiliki **struktur sekunder/secondary structure**, terdiri dari daerah batang (**stem**) & lingkaran (**loop**)



- ◆ **Daerah Stem Double Helical** terbentuk dr pasangan basa (**base pairing**). Struktur stem ini seperti pasangan basa pada DNA
- ◆ **Daerah Loop** terbentuk dimana **Tidak adanya basa komplementer** atau adanya **Basa yg termodifikasi** menghalangi pasangan basa



Struktur 16S rRNA

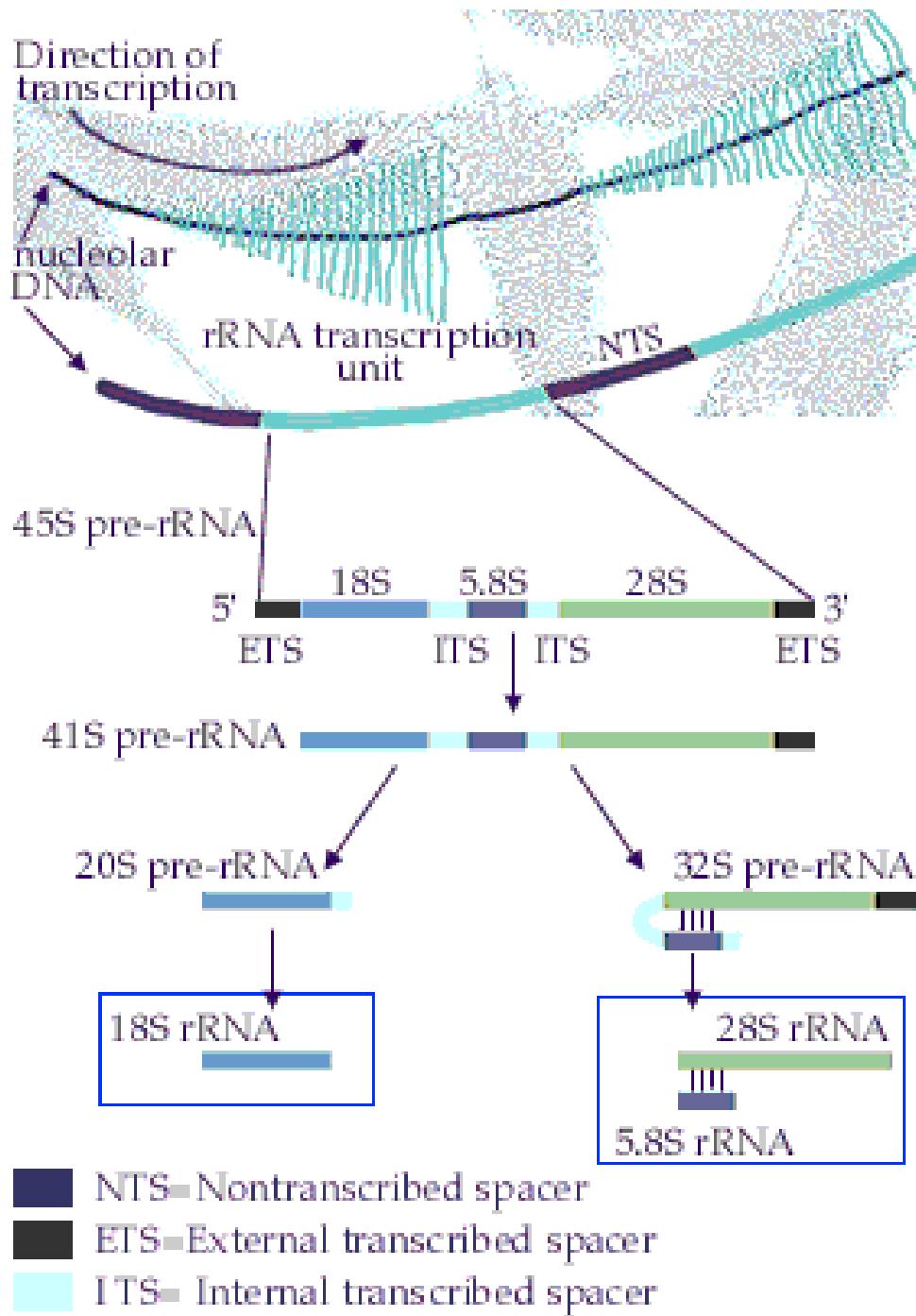
## RNA Ribosom (rRNA)

rRNA → Karakteristik struktur sekunder (*secondary structure; like Double Helix*) oleh Pasangan Basa Komplementer

rRNA bersama protein ribosom → struktur lipatan (*fold*) membentuk struktur 3D

**rRNA berperan dalam membentuk struktur ribosom**

Adanya kegiatan katalitik dari molekul RNA lain (RNase P & *Self-Splicing*) → kemungkinan peran katalitik rRNA dianggap sgt besar



- Gen yg mengkode rRNA (kecuali 5S rRNA; Gen 5S rRNA terletak di rRNA subunit besar dan kecil) terletak di bagian anak inti (nukleolar) dr nukleus
- Pengulangan Gsen rRNA sangat tinggi dan sel mamalia mengandung 100 sampai 2000 kopi gen rRNA per sel
- Gen terorganisasi di unit transkripsi dipisahkan oleh *non-transcribed spacer*
- Tiap unit transkripsi mengandung sekuen yg mengkode 18S, 5.8S dan 28S rRNA
- Unit transkripsi ditranskripsikan oleh **RNA Polymerase I** menjadi molekul RNA raksasa (Giant RNA) yg merupakan Transkrip Primer
- Laju transkripsi nukleolar sangat tinggi dan banyak polimerase yg dijalankan pada satu unit transkripsi yg sama

# RNA Translasi (tRNA)

---

Kode Genetik (Kodon) dibaca selama translasi melalui molekul adapter, **tRNA** yg memiliki **3 Basa Antikodon komplementer** (yg melengkapi) kodon di mRNA

Selama membaca mRNA, beberapa tRNA akan membaca banyak kodon yg berbeda hanya pada 3-Basa

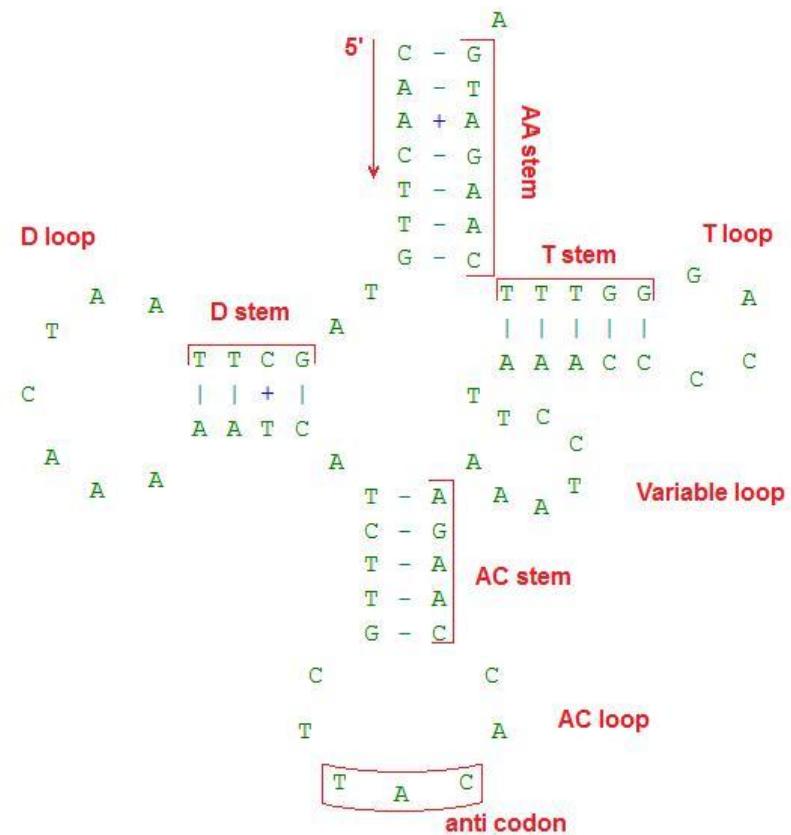
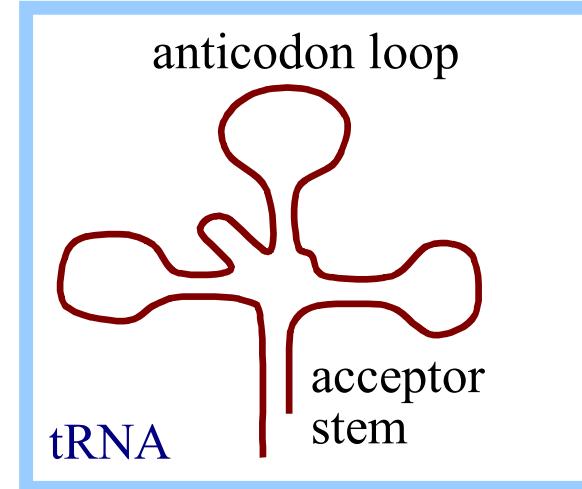
Terdapat **61 Kodon** khusus untuk 20 amino acids

Minimal **31 tRNA yg dibutuhkan untuk translasi**, tRNA yg mengkode Inisiasi Rantai (*Chain initiation*) tidak dihitung

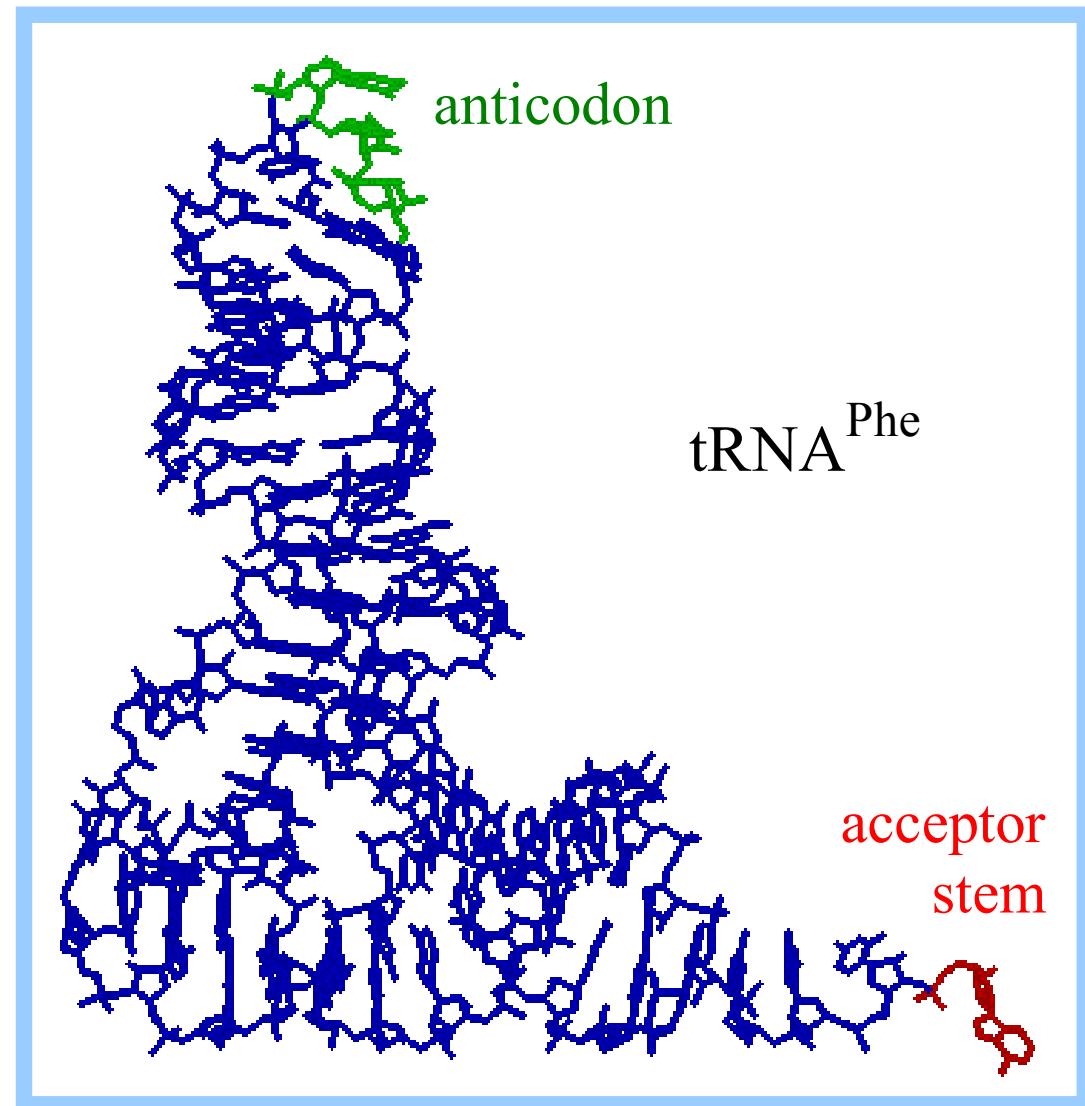
Sel Mamalia memproduksi lebih dari **150 tRNA**

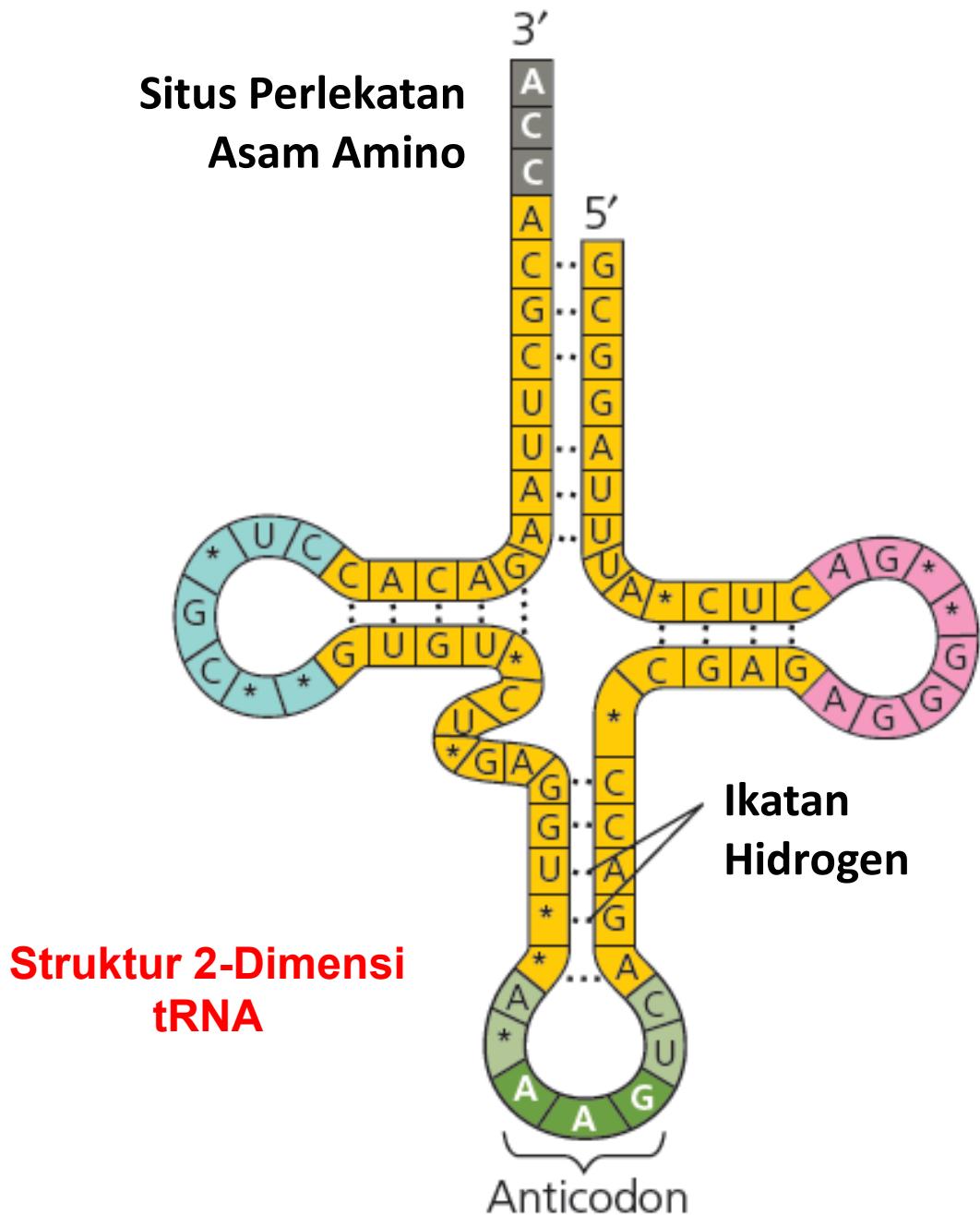
Struktur model “**Daun Semanggi (Cloverleaf)**” tRNA memperluas dua tipe struktur sekunder utama, **Stems & Loops**.

tRNA memiliki banyak **Basa Modifikasi**, khususnya di area **Loop**.



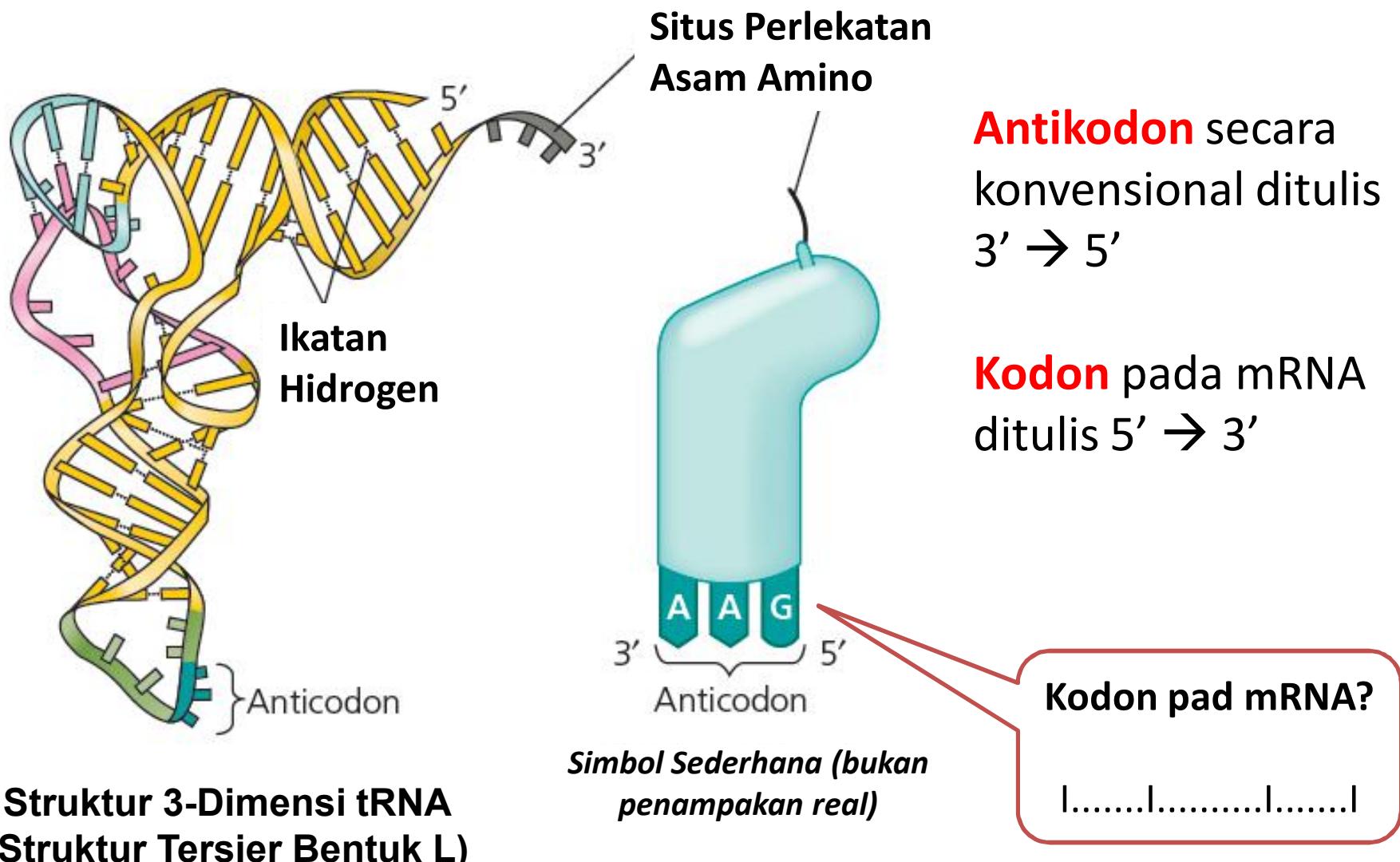
**tRNA** memiliki Struktur Tersier (*Tertiary Structure*) yaitu **Bentuk L (*L-shaped*)**





**Asam Amino** yg sesuai akan melekat pada situs perlekatan As. amino pada ujung 3'

**Tanda Bintang (\*)**  
menandai basa-basa yg telah termodifikasi secara kimiawi, ciri khas **tRNA**



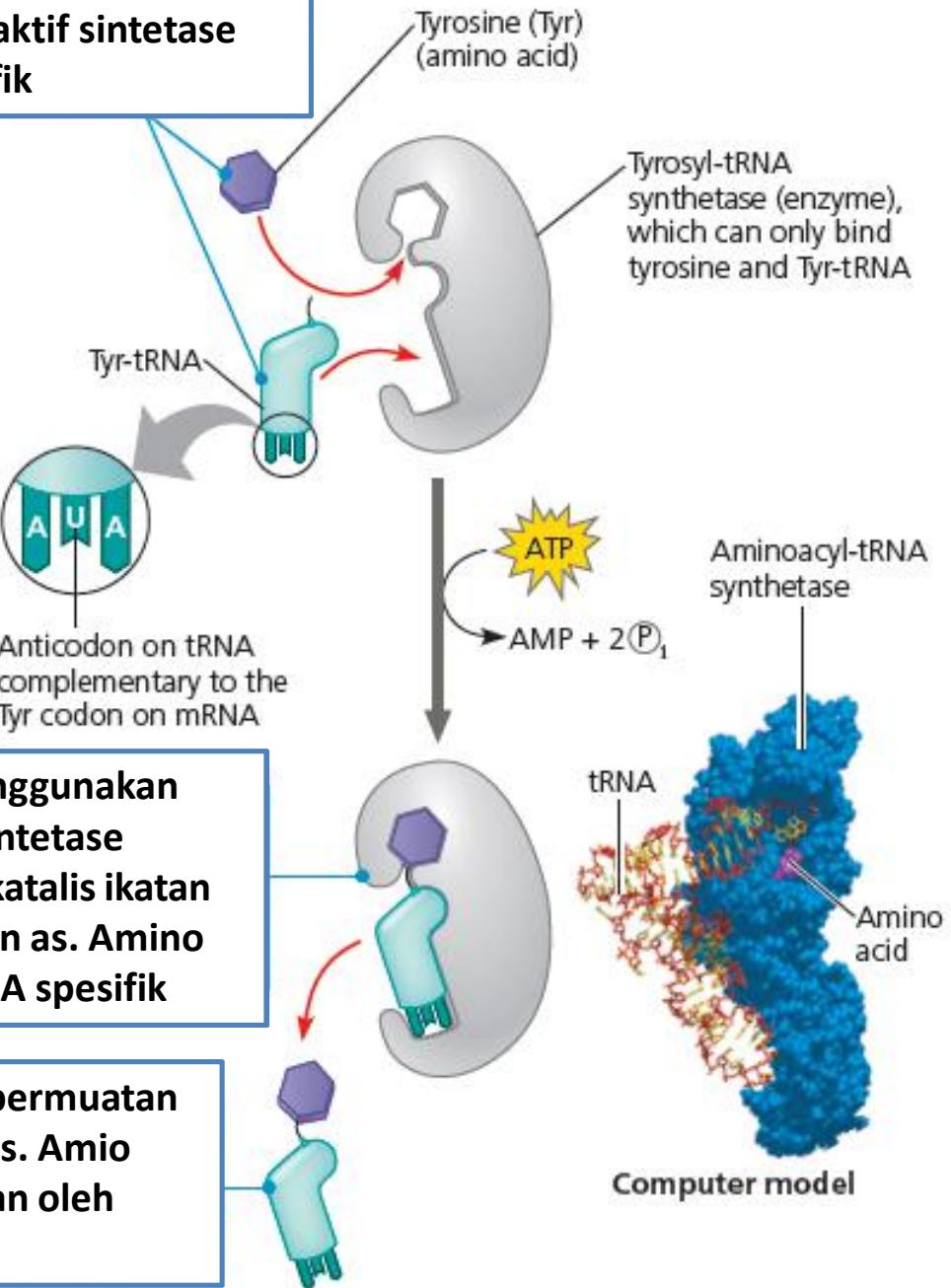
## Aminoacyl-tRNA Synthetase (aaRS)

Akurasi translasi kodon tergantung perlekatan tiap asam amino ke tRNA yg sesuai

Perlekatan dibantu oleh **aaRS**

Tiap **aaRS mengenali secara spesifik amino acid & tRNA** yg mengkoding untuk asam amino tsb

1. As. Amino & tRNA yg sesuai masuk ke situs aktif sintetase spesifik



# Struktur X-Ray Crystallography rRNA pada Subunit Besar Ribosom Bakteri

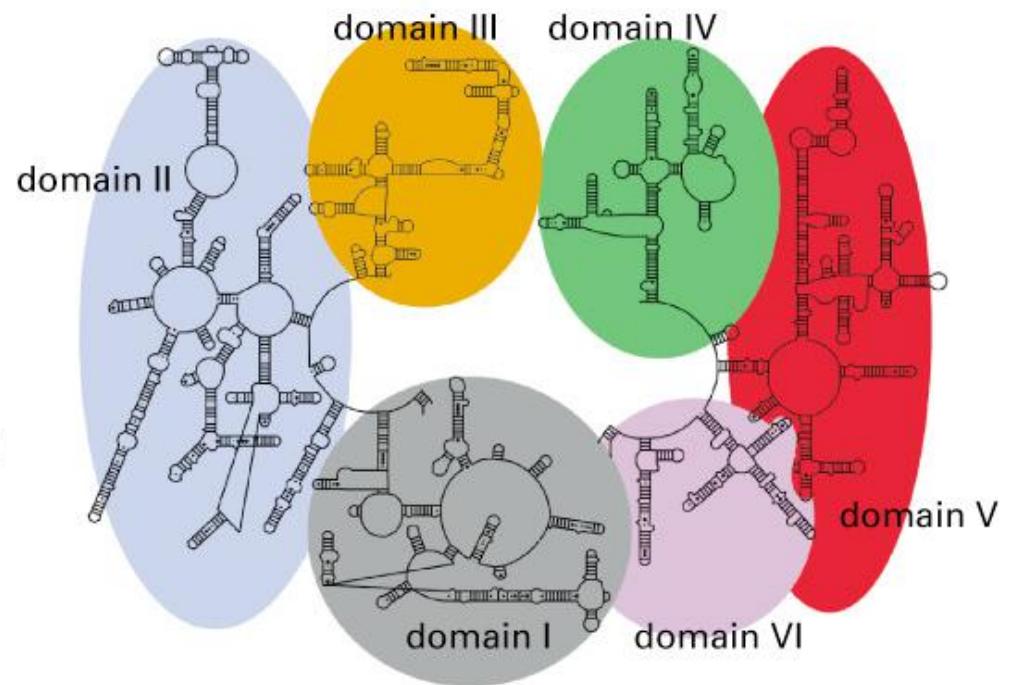
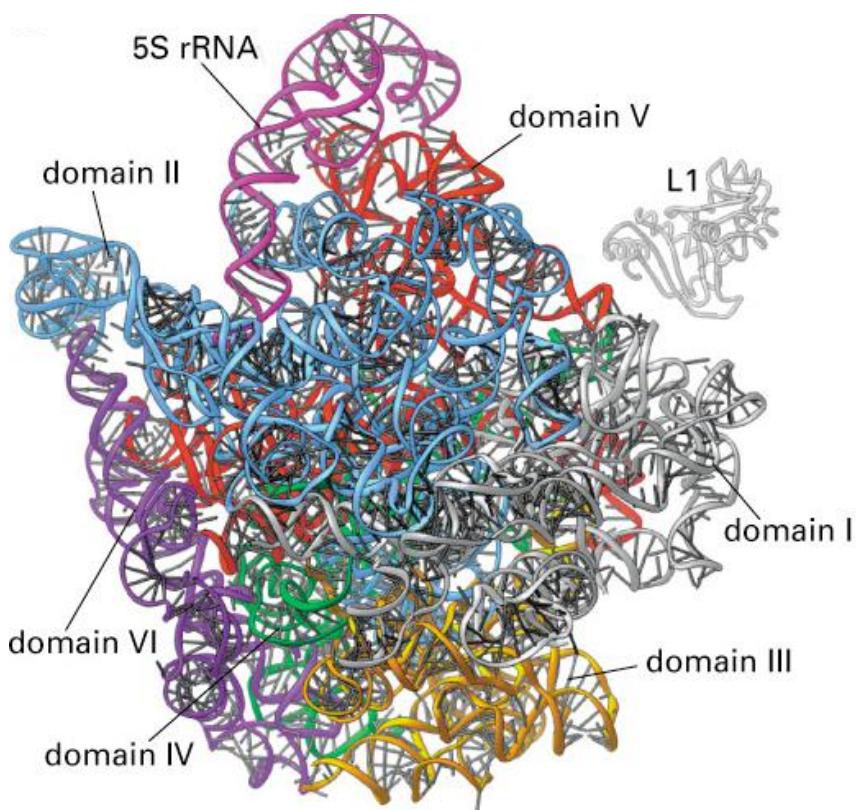
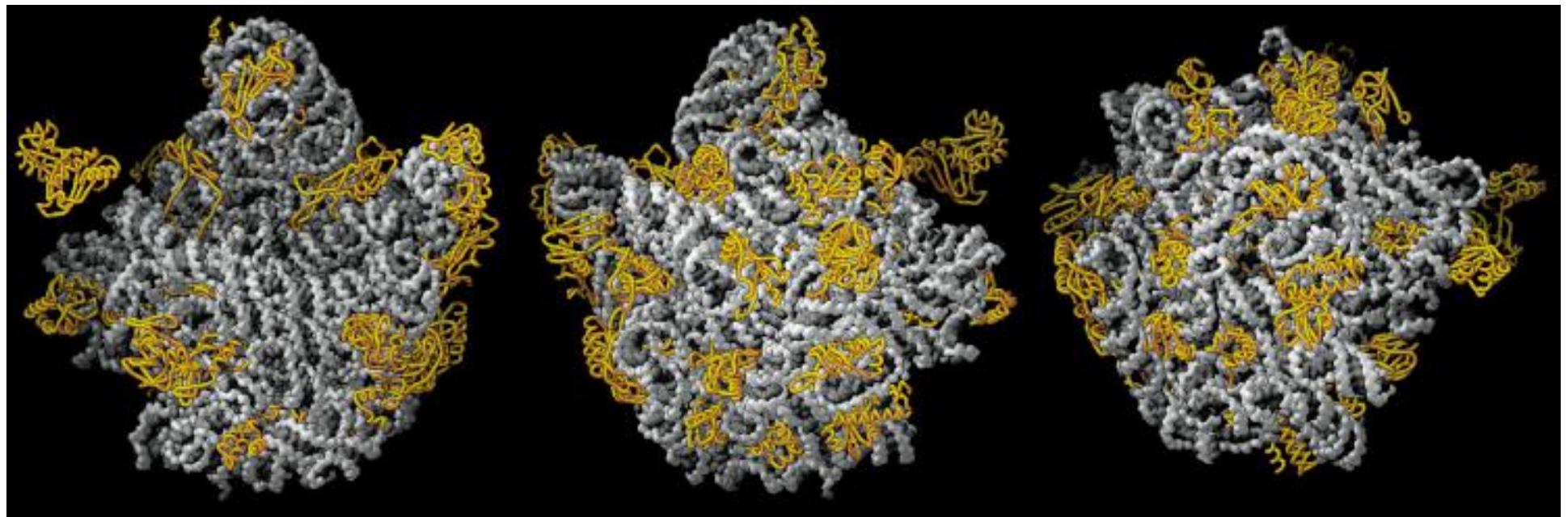


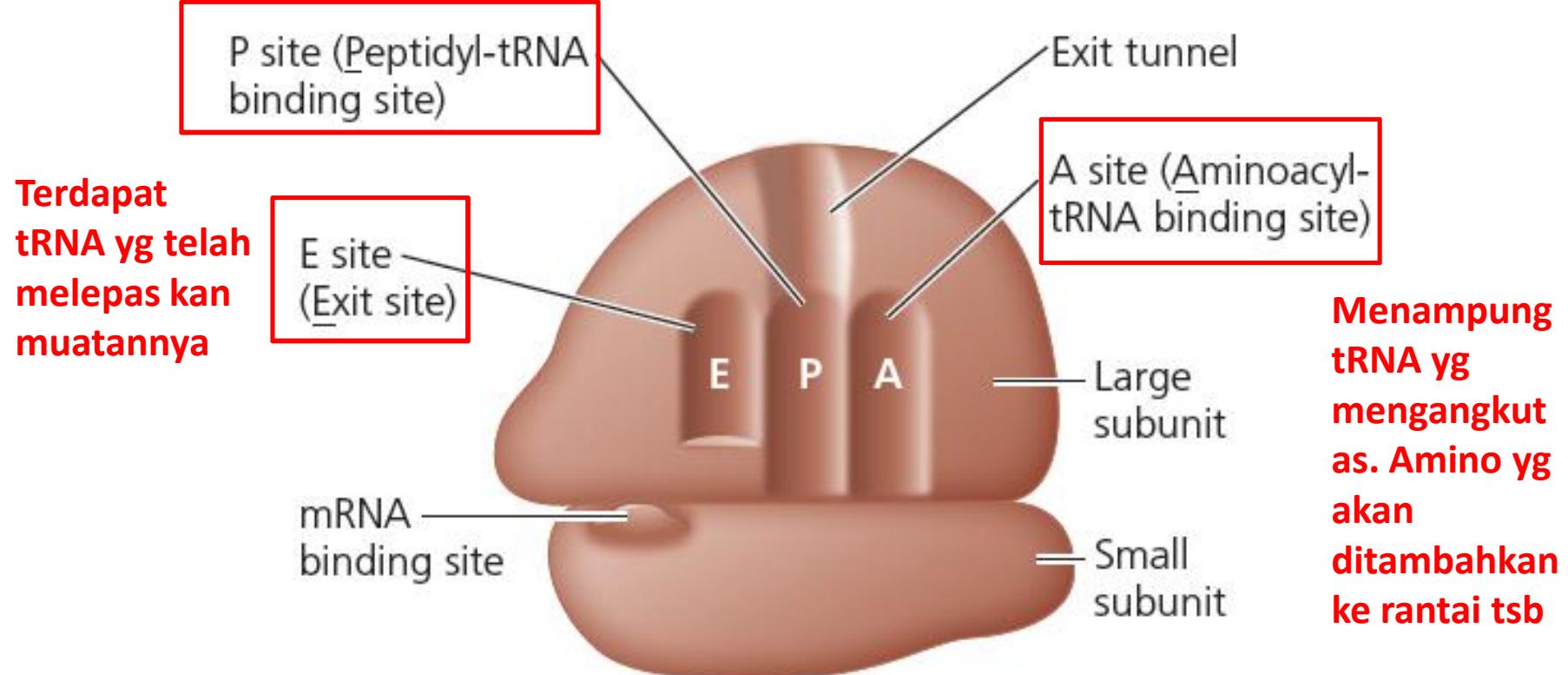
Figure 6–67 part 2 of 2. Molecular Biology of the Cell, 4th Edition.

# Lokasi Komponen Protein dari Subunit Besar Ribosom Bakteri

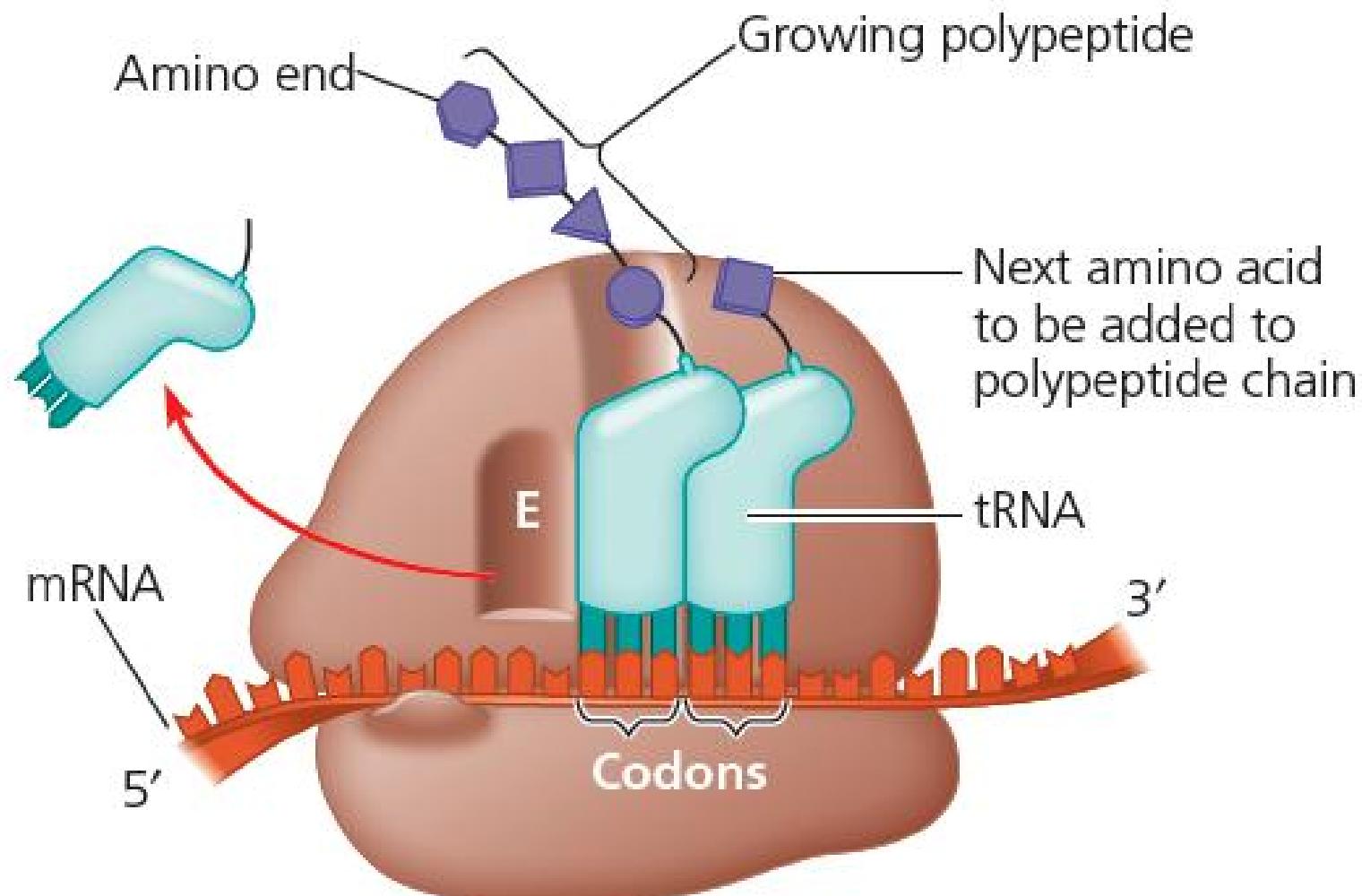


# SITUS PENEMPELAN (BANDING SITE) RIBOSOM

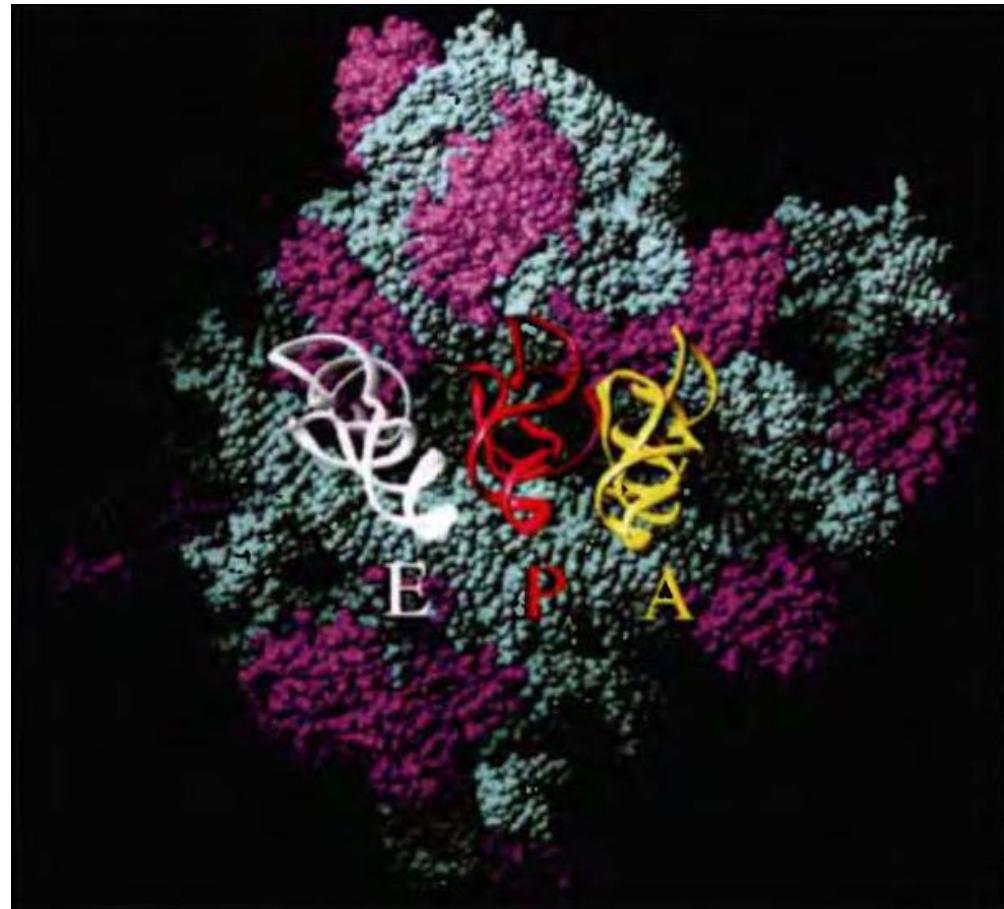
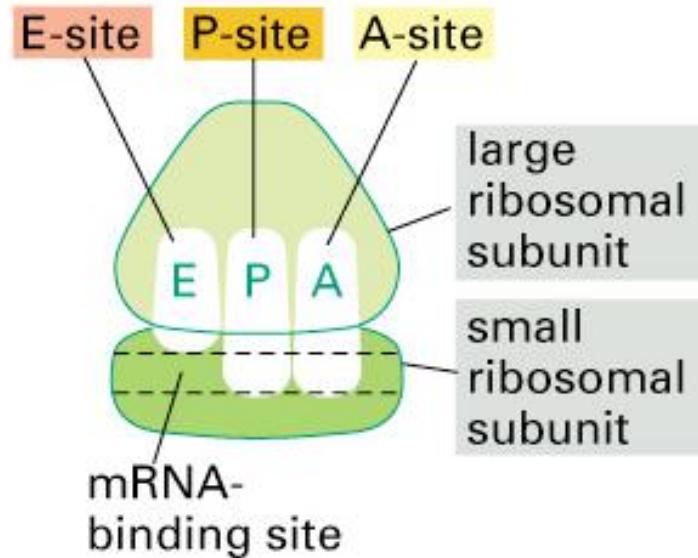
Menampung tRNA yg membawa  
rantai polipeptida yg sedang  
tumbuh



## SITUS PENEMPELAN (BANDING SITE) RIBOSOM

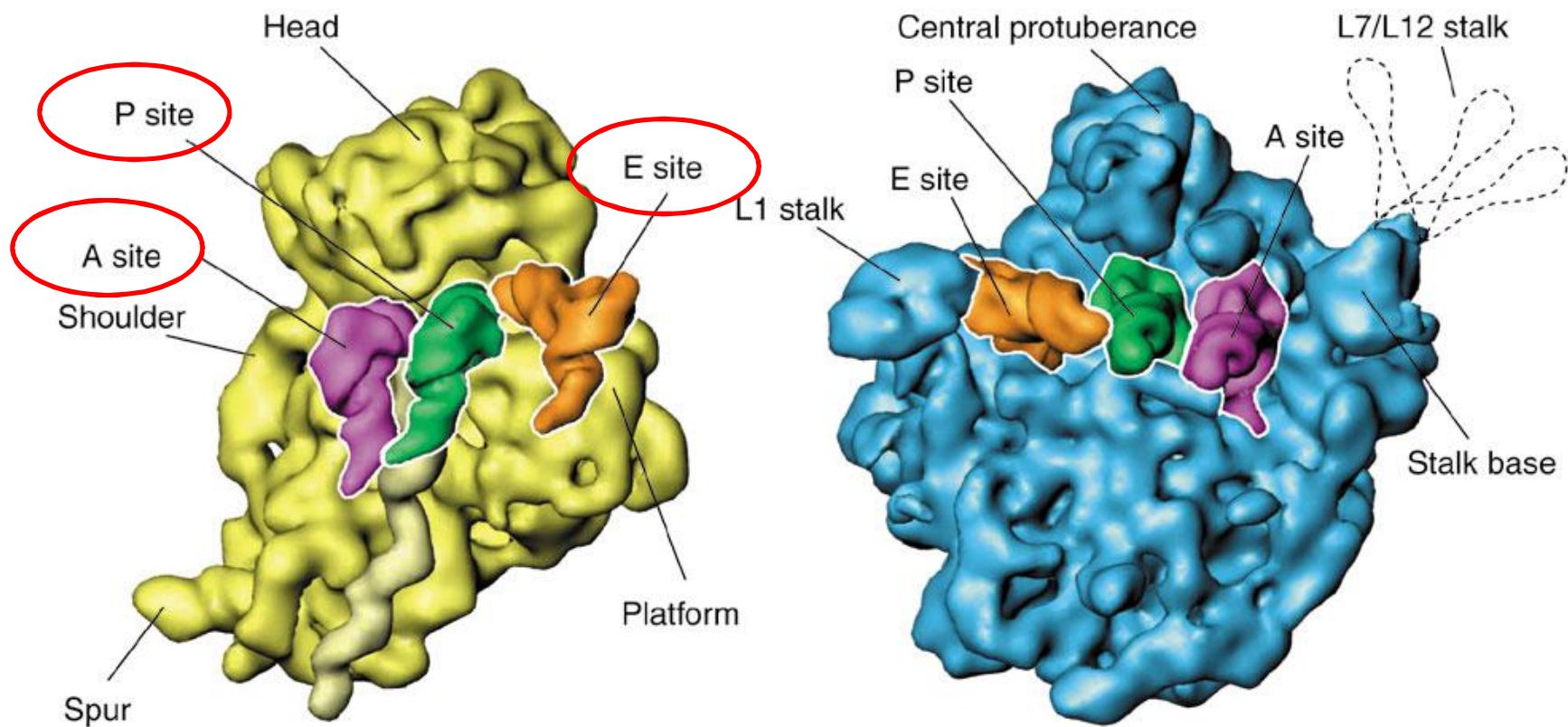


## SITUS PENEMPELAN (BANDING SITE) RIBOSOM



Struktur Subunit Ribosom 50S

## SITUS PENEMPELAN (BANDING SITE) RIBOSOM



Second mRNA base						
	U	C	A	G		
First mRNA base (5' end of codon)	UUU Phe UUC UUA Leu UUG	UCU Ser UCC UCA UCG	UAU Tyr UAC UAA Stop UAG Stop	UGU Cys UGC UGA Stop UGG Trp	U C A G U C A G U C A G U C A G U C A G	Third mRNA base (3' end of codon)
C	CUU CUC Leu CUA CUG	CCU CCC Pro CCA CCG	CAU His CAC CAA Gln CAG	CGU CGC Arg CGA CGG		
A	AUU AUC Ile AUA AUG Met or start	ACU ACC Thr ACA ACG	AAU Asn AAC AAA Lys AAG	AGU Ser AGC AGA Arg AGG		
G	GUU GUC Val GUA GUG	GCU GCC Ala GCA GCG	GAU Asp GAC GAA Glu GAG	GGU GGC Gly GGA GGG		

**64 Kodon** mRNA dibaca dari 5' → 3' di sepanjang mRNA

**Start Kodon = AUG/ Metionin**  
→ sinyal utk memulai translasi

**Stop Kodon = UAA, UAG, UGA**

Sehingga terdapat **61 Kodon**  
As. Amino yg harus dikode tRNA spesifik → kenyataannya hanya terdapat 45 tRNA

Sehingga satu tRNA bisa mengikat > satu macam kodon  
→ persangan kodon mjd fleksibel

Perpasangan basa yg fleksibel pd posisi kodon disebut **WOBBLE**

# MOLECULAR BIOLOGY OF THE GENE

GENES AND HOW THEY WORK



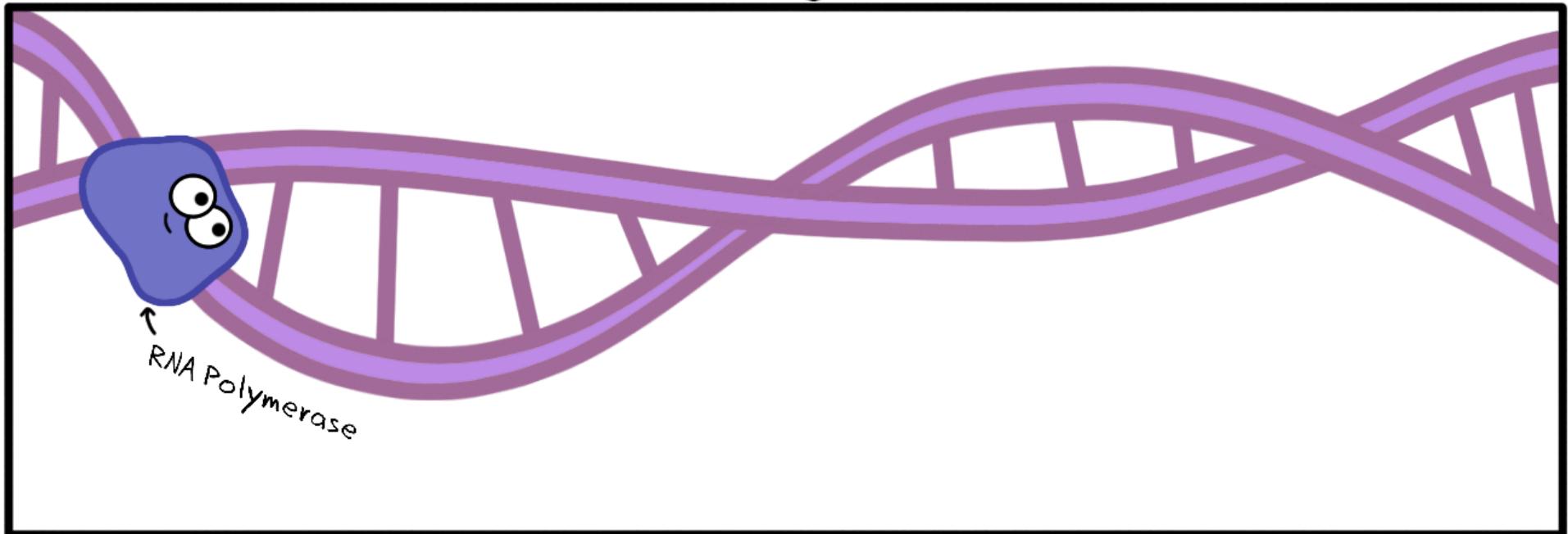
Mc  
Graw  
Hill

©2010 The McGraw-Hill Companies.

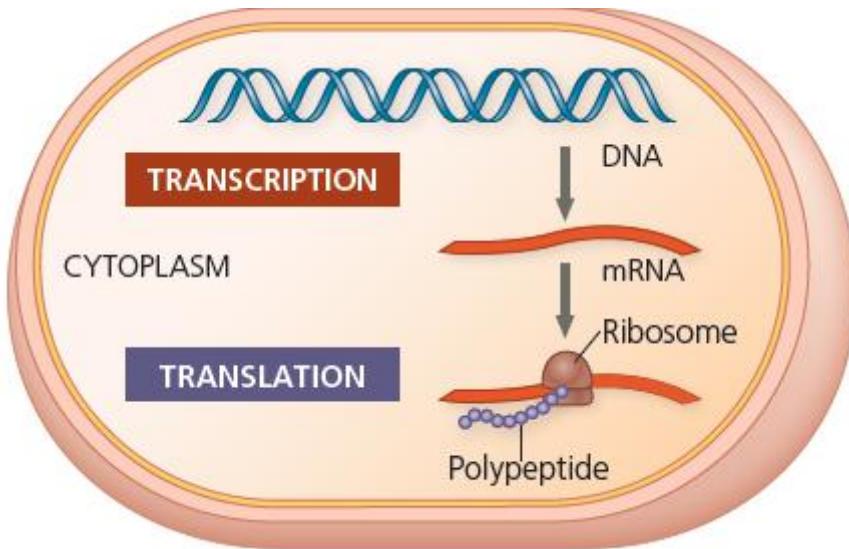
Amoeba Sisters

# Protein Synthesis

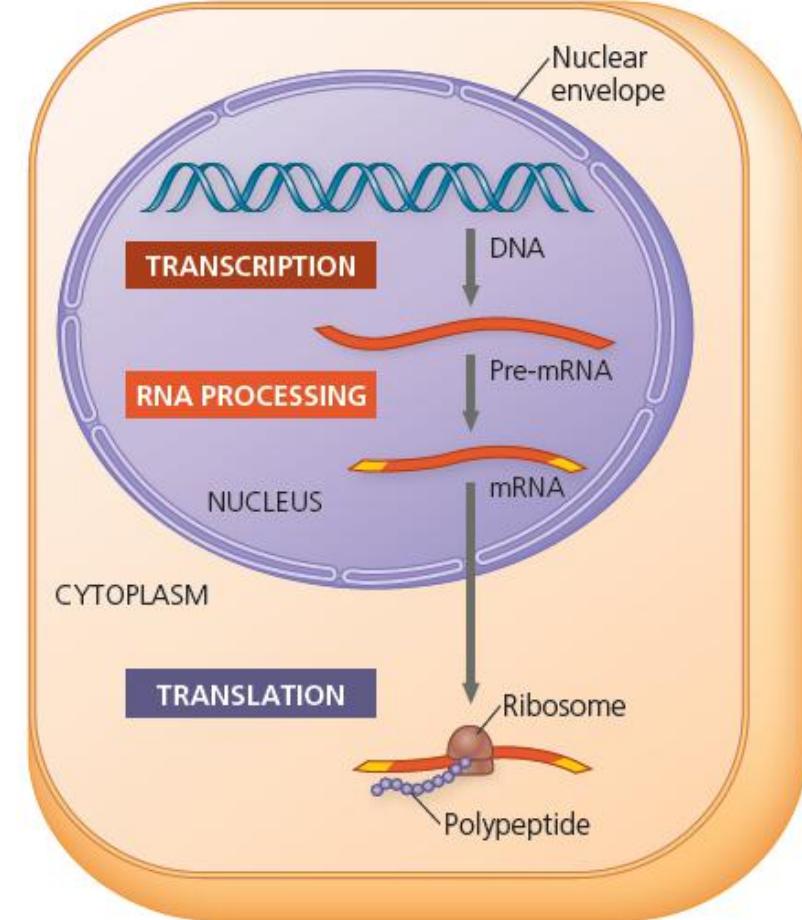
#AmoebaGIFs



Step 1: Transcription



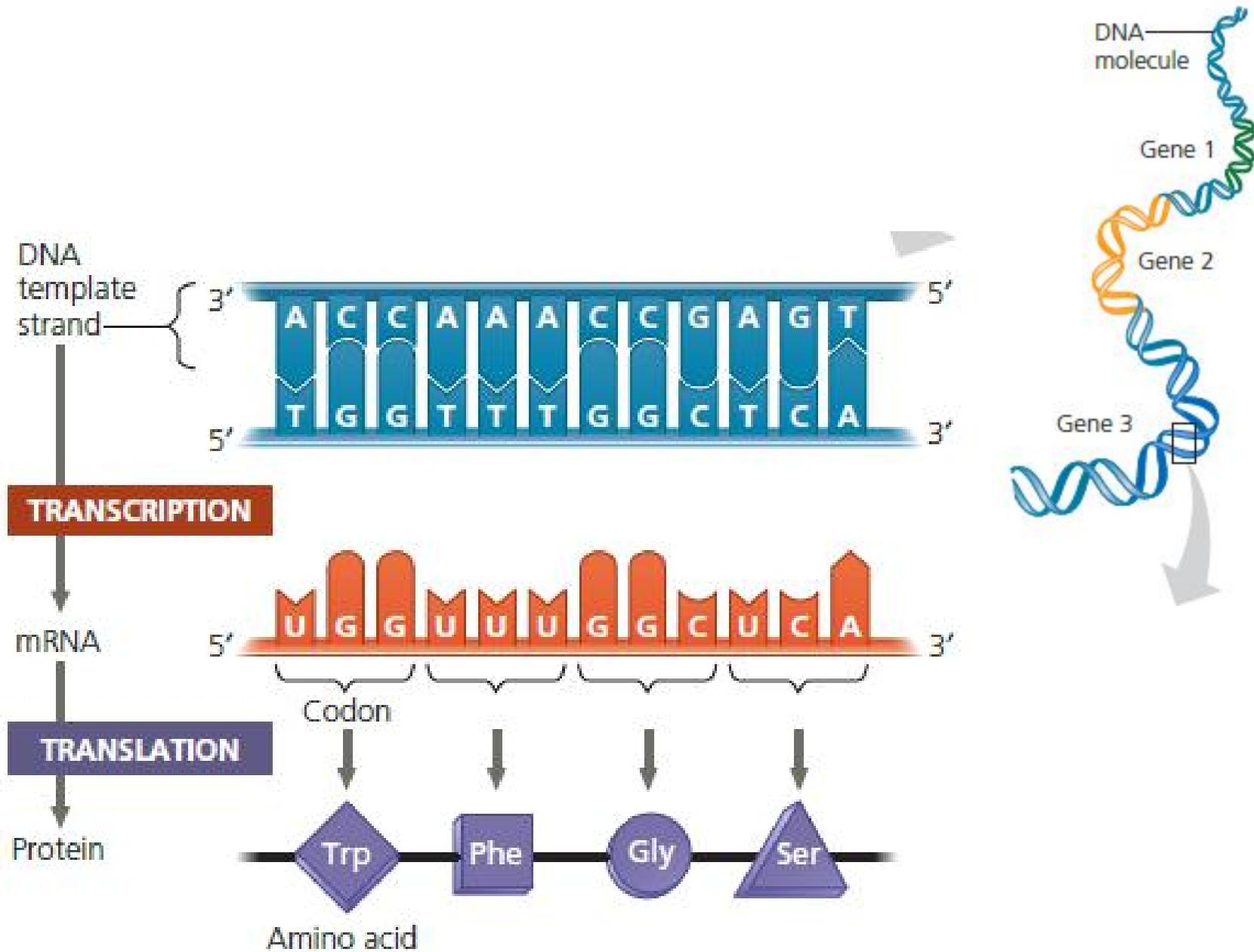
**Prokariotik**

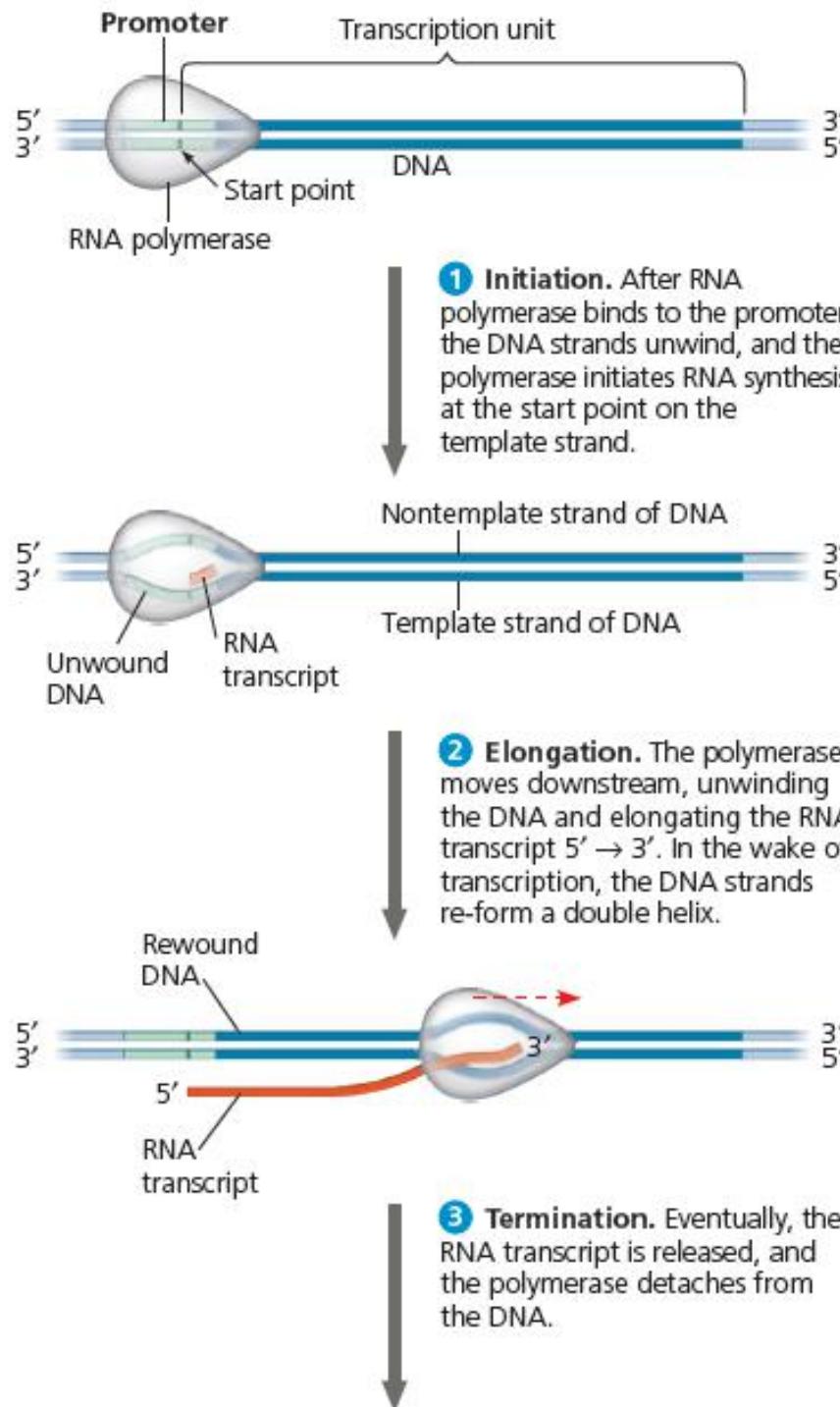


**Eukariotik**

## SINTESIS PROTEIN

- TRANSKRIPSI**
- TRANSLASI**





## TRANSKRIPSI

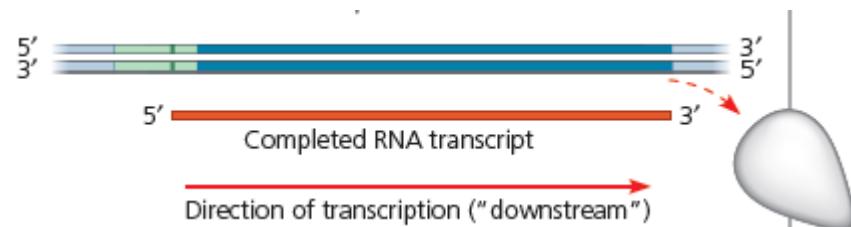
1 Tipe RNA Polimerase di Prokariotik:  
sintesis mRNA & sintesis protein (RNA  
ribosom)

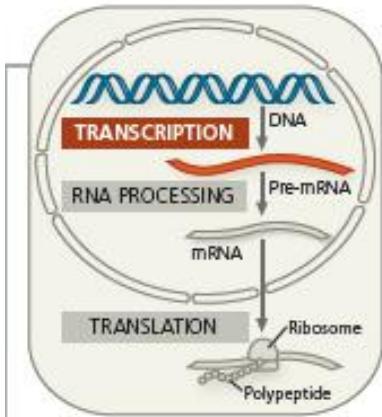
3 Tipe RNA Polimerase di nukleus  
Eukoariotik

**RNA Pol II : digunakan untuk sintesis  
mRNA**

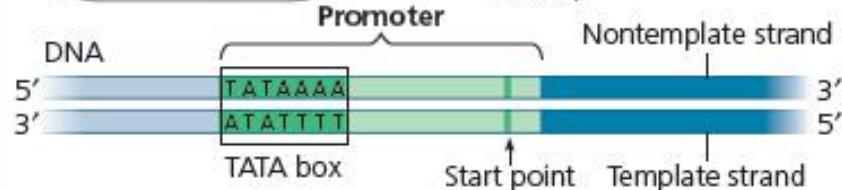
Sementara RNA Pol yg lain:  
mentranskripsi molekul RNA yg tdk  
ditranslasikan menjadi protein

**Terminasi:** RNA polimerasi II  
mentranskripsi sekuens sinyal  
POLIADENILASI yg mengkode **sinyal**  
**poliadenilasi (AAUAA)**

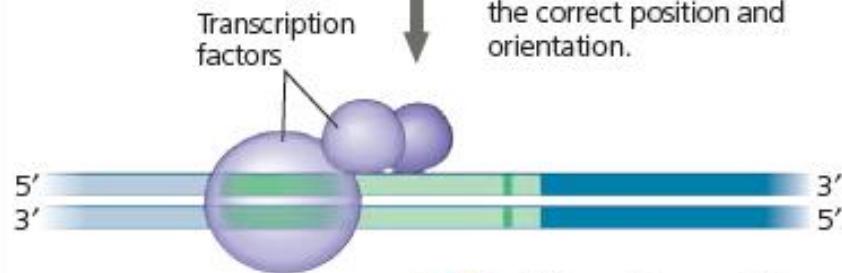




**1** A eukaryotic promoter commonly includes a TATA box, a nucleotide sequence containing TATA, about 25 nucleotides upstream from the transcriptional start point. (By convention, nucleotide sequences are given as they occur on the *nontemplate* strand.)



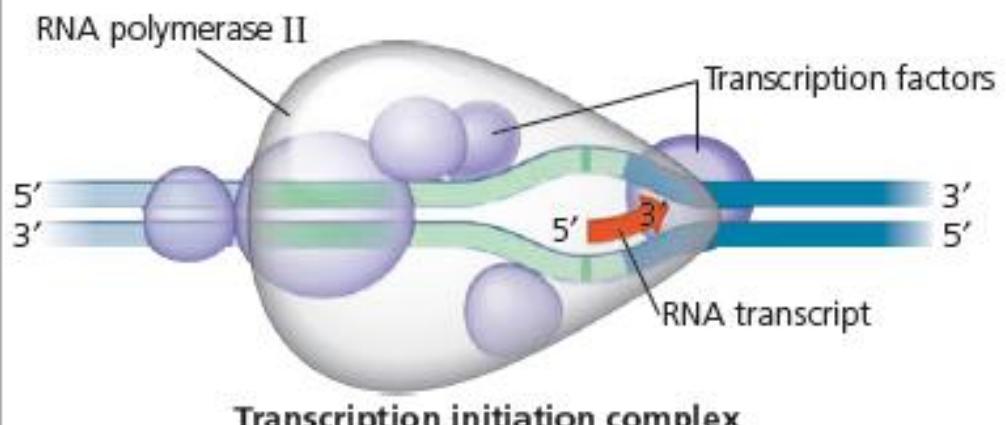
**2** Several transcription factors, one recognizing the TATA box, must bind to the DNA before RNA polymerase II can bind in the correct position and orientation.

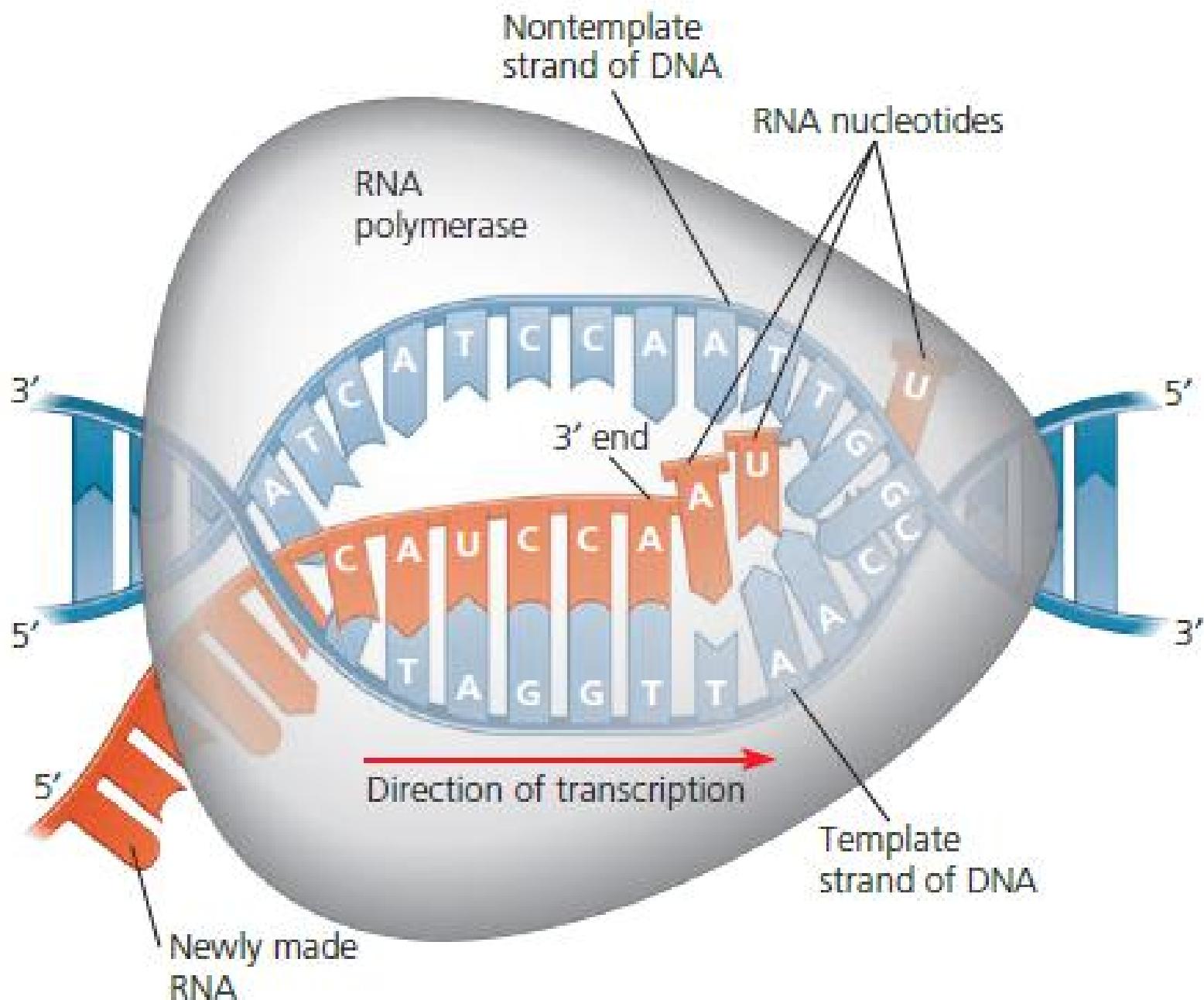


**3** Additional transcription factors (purple) bind to the DNA along with RNA polymerase II, forming the transcription initiation complex. RNA polymerase II then unwinds the DNA double helix, and RNA synthesis begins at the start point on the template strand.

# INISIASI TRANSKRIPSI

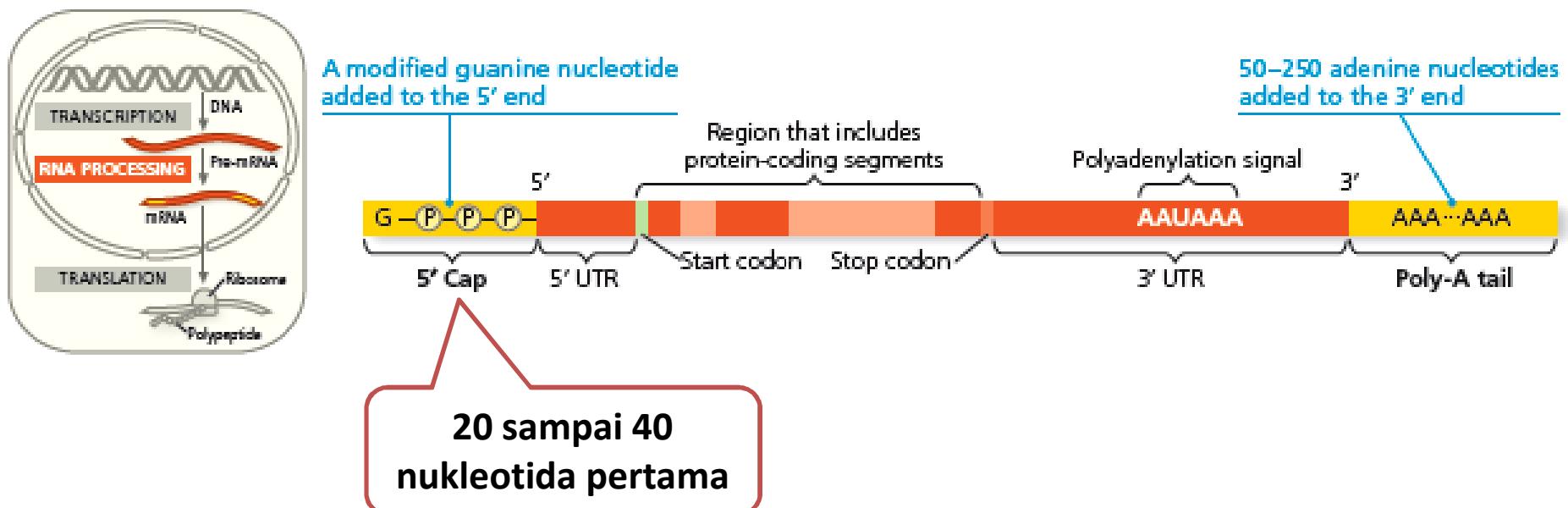
**Faktor Transkripsi (Transcription Factors)** : sekelompok protein yg memediasi pengikatan RNA polimerase dan inisiasi transkripsi





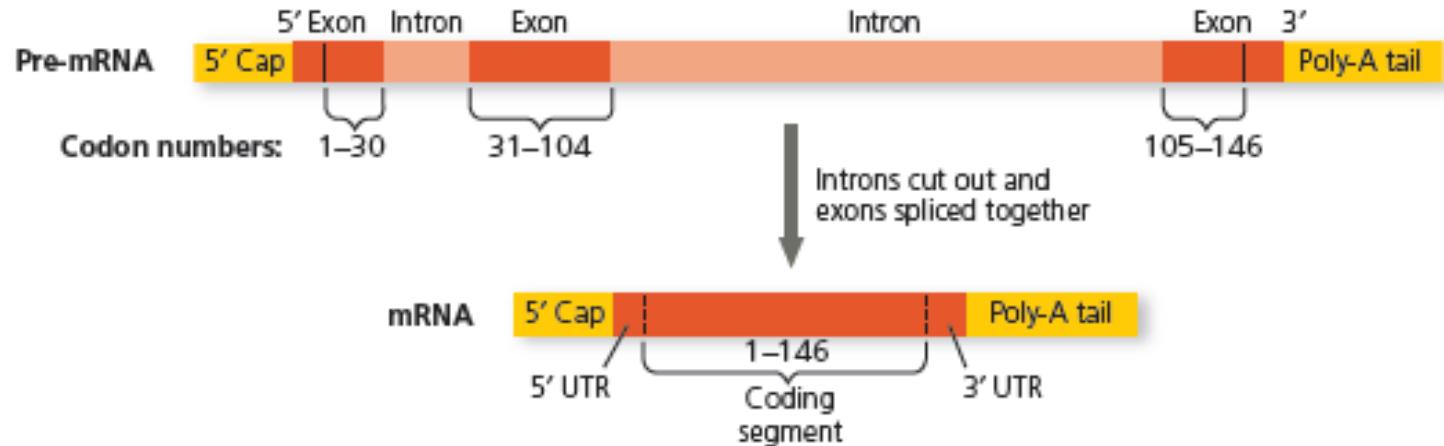
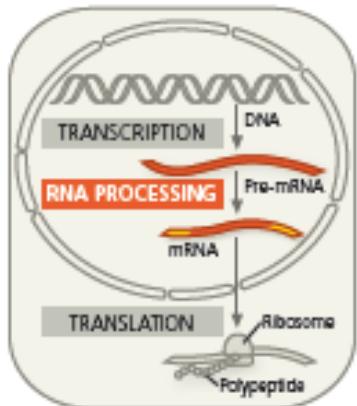
## PEMROSESAN RNA : Penambahan Tudung 5' dan Ekor Poli-A

- Enzim-enzim memodifikasi kedua ujung molekul pre-mRNA eukariotik
- Ujung2 tsb **mempromosikan ekspor** dr nukleus dan membantu **melindungi mRNA dr degradasi enzim hidrolitik**
- Tudung 5' dan ekor poli-A tidak ditranslasikan menjadi protein, juga daerah2 UTR



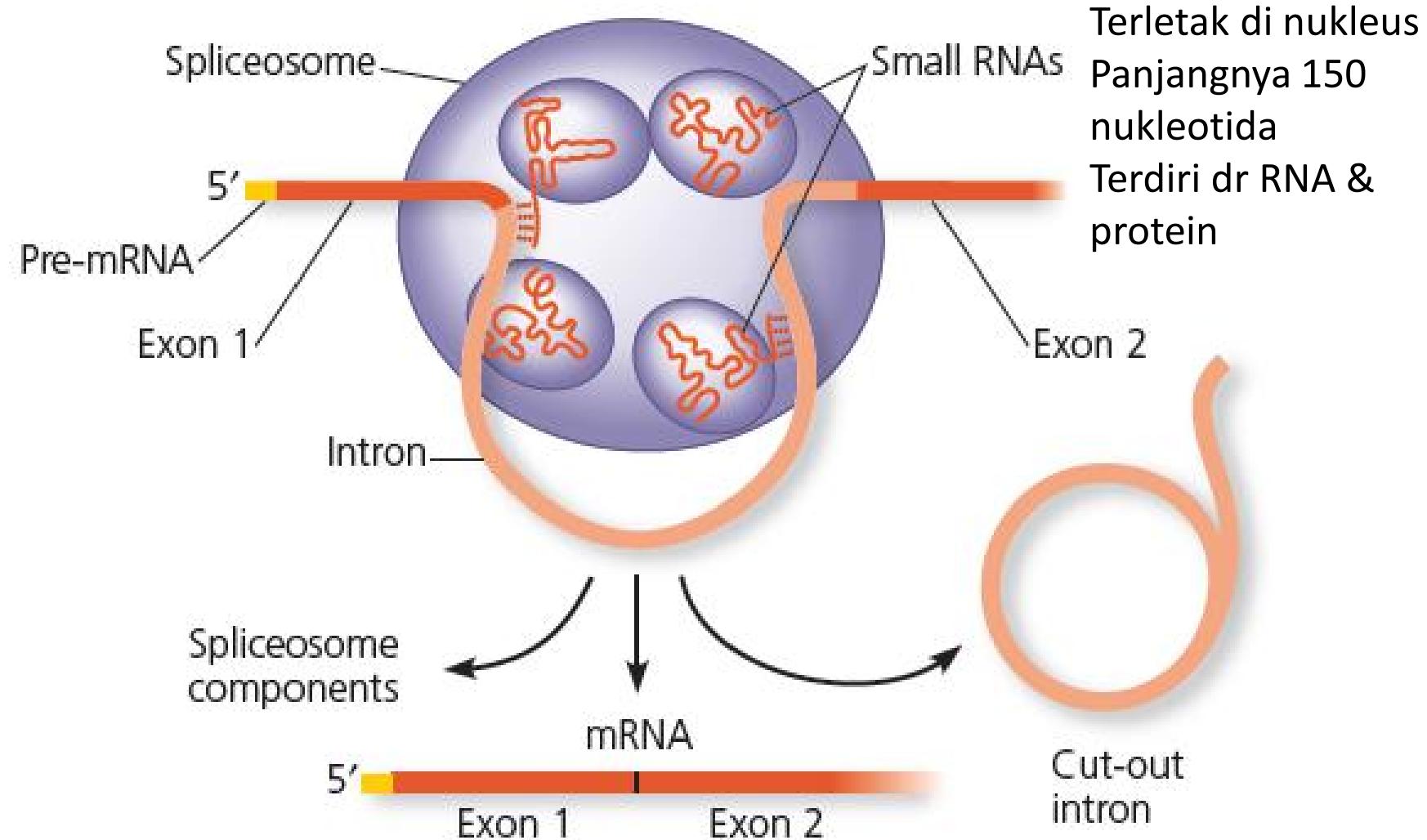
# PENYAMBUNGAN RNA (RNA SPLICING)

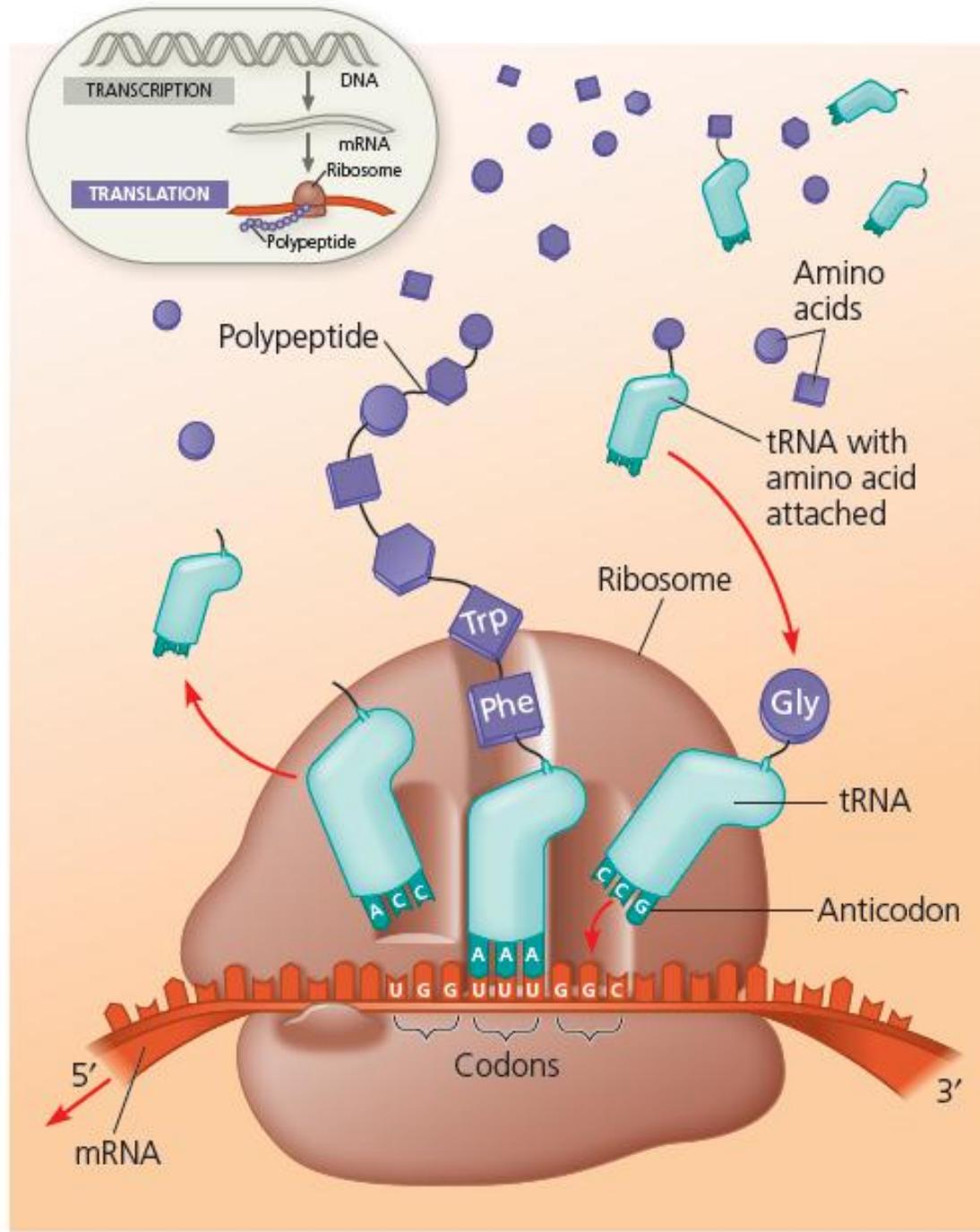
- Panjang Unit Transkripsi DNA manusia : 27.000 bp (pasang basa), RNA Primer jg spt itu
- **Ekson (Exon)** : Bagian yang dikode/ disandikan
- **Intron**: Bagian penyela, tidak dikode/ disandikan



© Pearson Education, Inc.

## PENYAMBUNGAN RNA (*RNA SPLICING*)



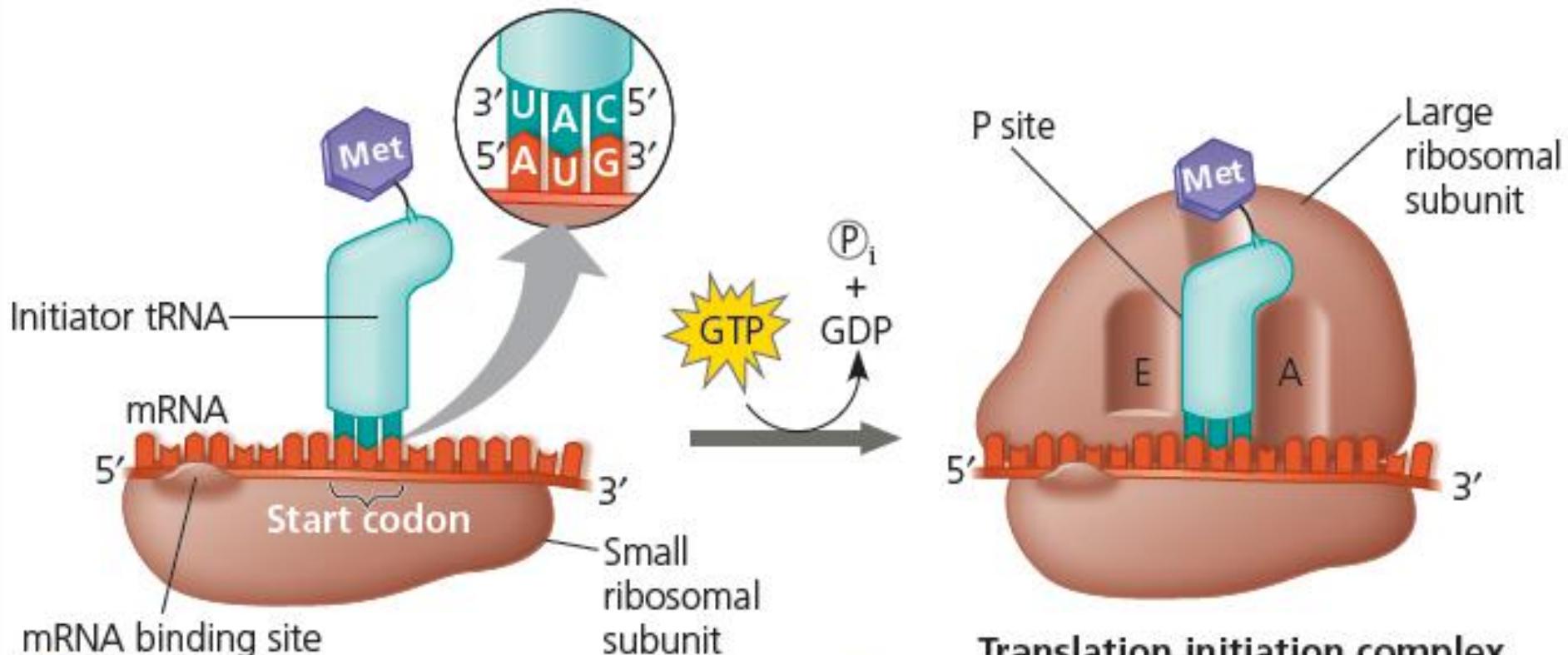


## TRANSLASI

### Inisiasi Translasi

**Prokariotik:** Subunit kecil ribosom bakteri dapat mengikat mRNA dan tRNA spesifik ke dalam urutan mana saja (pada start kodon AUG)

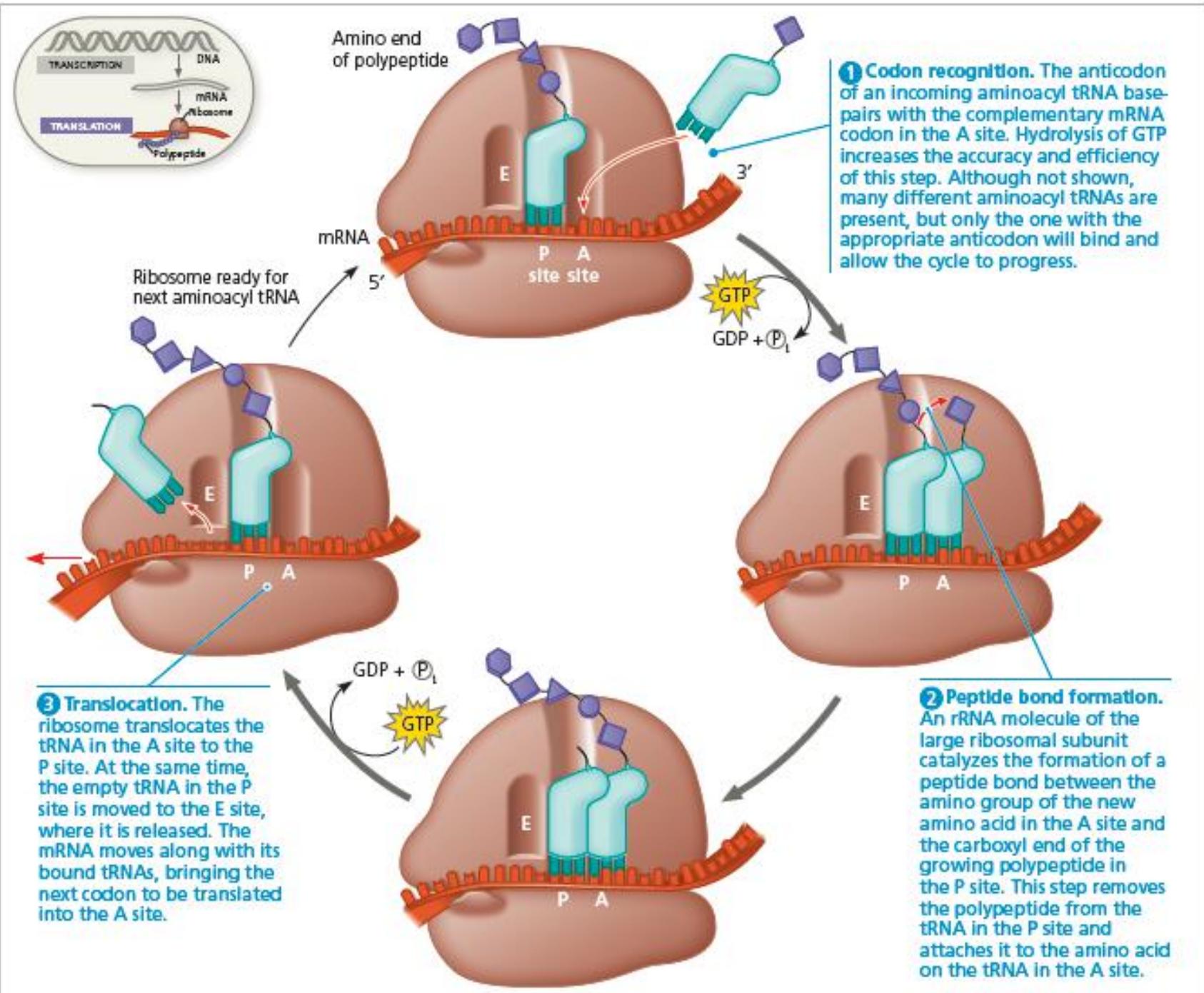
**Eukariotik :** subunit kecil yg telah berikatan dgn tRNA inisiator berikatan dgn tudung 5' mRNA dan bergerak memindai sampai ke start kodon dan tRNA inisiator membentuk ikatan hidrogen dgn kodon tsb



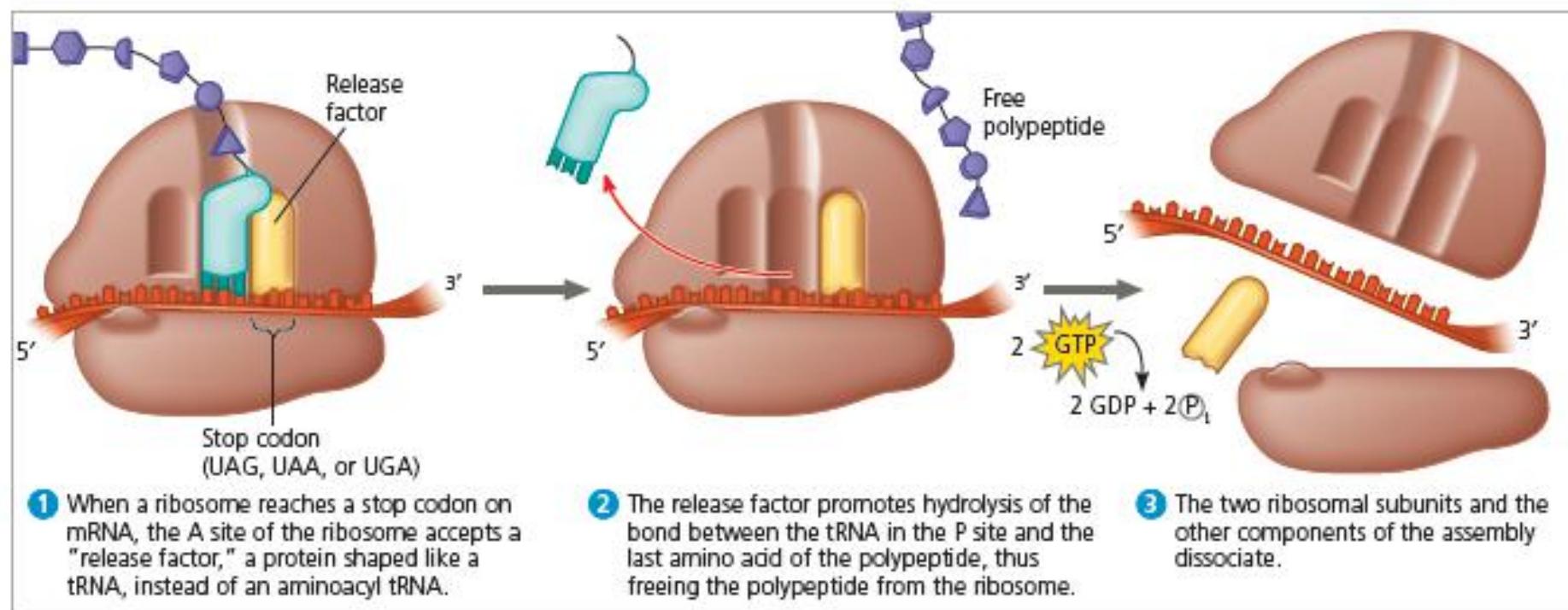
**1** A small ribosomal subunit binds to a molecule of mRNA. In a bacterial cell, the mRNA binding site on this subunit recognizes a specific nucleotide sequence on the mRNA just upstream of the start codon. An initiator tRNA, with the anticodon UAC, base-pairs with the start codon, AUG. This tRNA carries the amino acid methionine (Met).

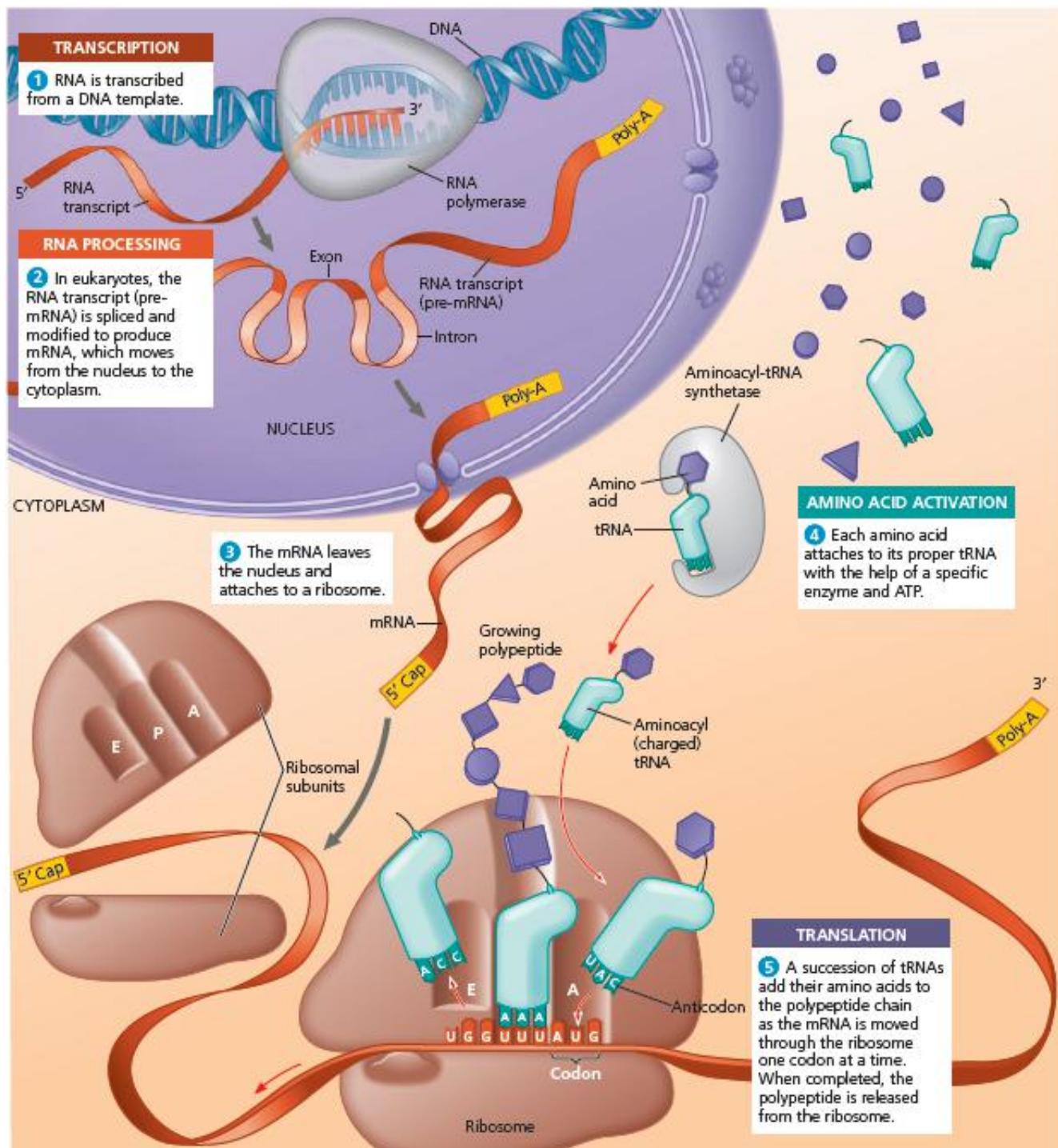
**2** The arrival of a large ribosomal subunit completes the initiation complex. Proteins called initiation factors (not shown) are required to bring all the translation components together. Hydrolysis of GTP provides the energy for the assembly. The initiator tRNA is in the P site; the A site is available to the tRNA bearing the next amino acid.

### Translation initiation complex



**Faktor Pelepasan (Release Factor)** : Suatu protein yg berikatan dengan stop kodon di situs A. Menyebabkan penambahan molekul air sebagai pengganti asam amino ke rantai polipeptida, reaksi ini memutus/ menghidrolisis ikatan polipeptida yg telah selesai dgn tRNA di situs P



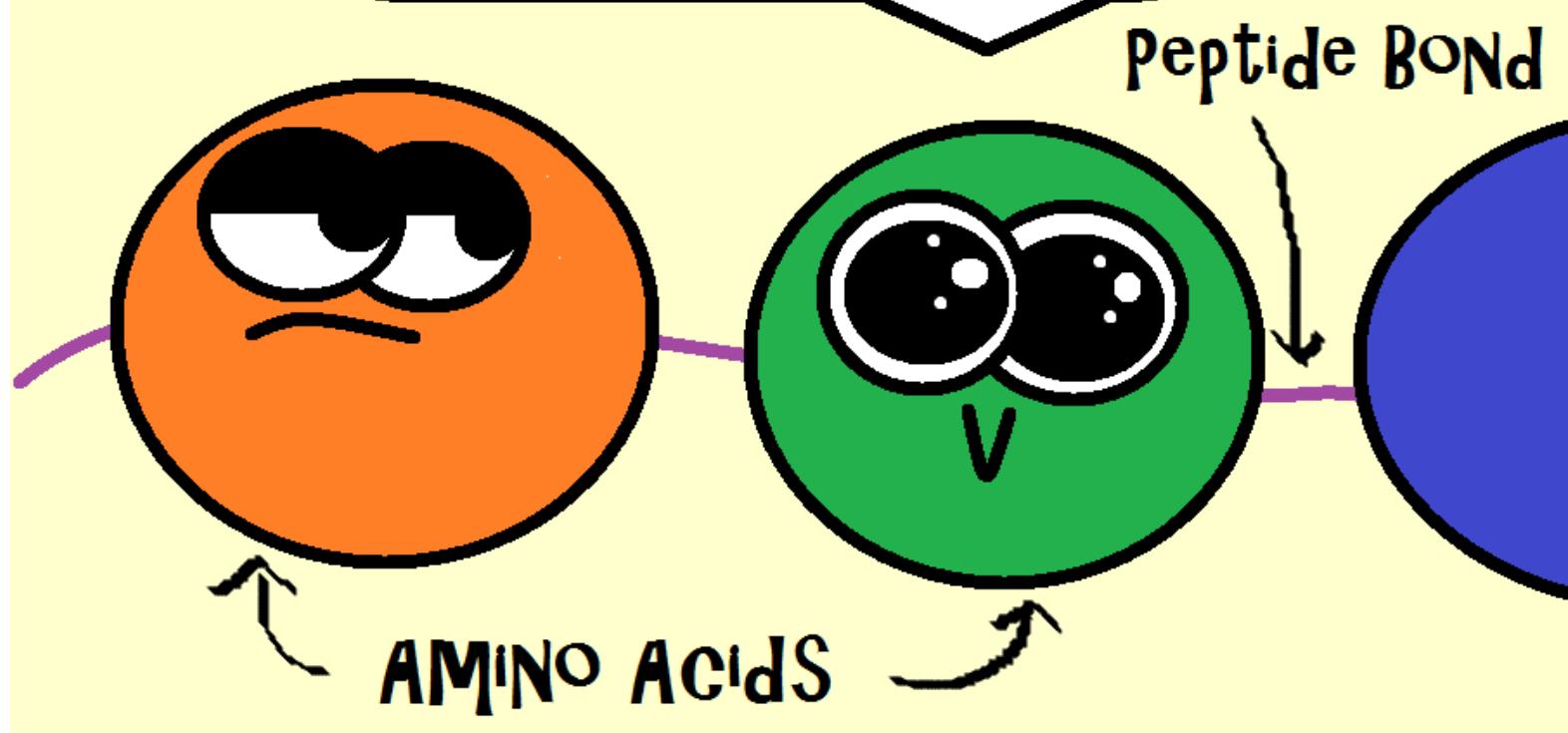




# Soft Skill

**“Hidup itu seperti Sintesis Protein, Kita harus mentranskripsi mRNA kehidupan yg berisi kodon2 kebaikan dan mentranslasikan kodon2 tersebut menjadi protein kebaikan yg bermanfaat bagi diri kita (sel) dan orang banyak (jaringan, organ sampai organisme)”**

We're BFF'S because  
oF our peptide bOND!



**TERIMA KASIH**